

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE****INFORMAZIONI PERSONALI**

COGNOME	Frullanti
NOME	Elisa
RESIDENZA	Via della libertà 5B, 53040 Rapolano Terme (Siena)
TELEFONO	3426200415
INDIRIZZO	Via della libertà 5B, 53040 Rapolano Terme (Siena)
E-MAIL	elisa.frullanti@dbm.unisi.it ; elisa.frullanti@unisi.it
E-MAIL PEC	elisa.frullanti@pec.it
NAZIONALITÀ	Italiana
STATO CIVILE	Coniugata
DATA DI NASCITA	17/03/1982
LUOGO DI NASCITA	Siena
CODICE FISCALE	FRLLE82C57I726V
PATENTE	B
TELEFONO	+39 0577233303 (lavoro); +39 3426200415 (personale)
ORCID ID	0000-0001-5634-031X
INDIRIZZO LUOGO DI LAVORO	Dipartimento di Biotecnologie Mediche Università di Siena c/o Polo Scientifico di San Miniato Via Aldo Moro, 2 - 53100 - Siena - Italy Tel +39 0577 232595
POSIZIONE ATTUALE	Professore Associato (dal 01/12/2021) Settore concorsuale 05/I1 Genetica - Settore scientifico disciplinare BIO/18 Genetica

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a) 01/12/2018 – 30/11/2021
- Tipo di impiego Ricercatore T.D. *Senior* – ai sensi dell'art. 24 – comma 3 – lettera b) della legge n. 240/30.12.2010, di durata triennale, Settore concorsuale 05/11 Genetica - Settore scientifico disciplinare BIO/18 Genetica, Progetto di ricerca "*Gene editing*" (Responsabile Scientifico Prof. Alessandra Renieri).
- Luogo di lavoro Genetica Medica, Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università di Siena, viale Bracci 2, 53100 Siena

- Date (da – a) 01/08/2016 – 30/11/2018
- Tipo di impiego Ricercatore T.D. *Junior* – ai sensi dell'art. 24 – comma 3 – lettera a) della legge n. 240/30.12.2010, di durata triennale, Settore concorsuale 06/A1 Genetica Medica - Settore scientifico disciplinare MED/03 Genetica Medica, Progetto di ricerca "*Genetica medica delle malattie renali e dei tumori polmonari*" (Responsabile Scientifico Prof. Alessandra Renieri).
- Luogo di lavoro Genetica Medica, Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università di Siena, viale Bracci 2, 53100 Siena

- Date (da – a) 01/06/2016 – 31/07/2016
- Tipo di impiego Incarico professionale per attività di revisione e aggiornamento del database della Biobanca (Responsabile Scientifico Prof. Alessandra Renieri).
- Luogo di lavoro Genetica Medica, Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università di Siena, Azienda Ospedaliera Universitaria Senese, viale Bracci 2, 53100 Siena

- Date (da – a) 01/06/2015 – 31/05/2016
- Tipo di impiego Post-doctoral Fellowship
Vincitrice della Borsa di Ricerca annuale "Post-doctoral Fellowships 2015" finanziata dalla Fondazione Umberto Veronesi per il progetto "*Identification of genetic bases of individual predisposition to lung cancer in young non-smokers patients through whole-exome sequencing*"
- Luogo di lavoro Genetica Medica, Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università di Siena, Azienda Ospedaliera Universitaria Senese, viale Bracci 2, 53100 Siena

- Date (da – a) 01/10/2014 – 31/05/2015
- Tipo di impiego Post-doctoral Fellowship
Borsa di studio d'Istituto nell'ambito del progetto di ricerca "*Cellule staminali pluripotenti indotte come modello in vitro per lo studio della patogenesi della Sindrome di Rett e identificazione di target terapeutici*" (Responsabile Scientifico Prof. Alessandra Renieri).
- Luogo di lavoro U.O.C. Genetica Medica, Azienda Ospedaliera Universitaria Senese, viale Bracci 2, 53100 Siena

- Date (da – a) 16/01/2014 – 16/06/2014
- Tipo di impiego Co.Co.Co nell'ambito del progetto di ricerca "*Cellule staminali pluripotenti indotte come modello in vitro per lo studio della patogenesi della Sindrome di Rett e identificazione di target terapeutici*" (Responsabile Scientifico Prof. Alessandra Renieri).
- Luogo di lavoro U.O.C. Genetica Medica, Azienda Ospedaliera Universitaria Senese, viale Bracci 2, 53100 Siena

- Date (da – a) 01/01/2013 – 31/12/2013
- Tipo di impiego Post-doctoral Fellowship
Vincitrice della Borsa di Ricerca annuale "Young Investigator Programme 2013" finanziata dalla Fondazione Umberto Veronesi per il progetto "*Exome sequencing in non-smoker young lung cancer patients*"
- Luogo di lavoro Genetica Medica, Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università di Siena, Azienda Ospedaliera Universitaria Senese, viale Bracci 2, 53100 Siena

<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego 	<p>01/01/2010 – 31/12/2012</p> <p>Doctoral Fellowship</p> <p>Vincitrice della Borsa di Ricerca triennale "ANTONIETTA ANDREOLI 2010-2012" finanziata dall'AIIRC per il progetto "<i>Genome-wide profiling of single nucleotide polymorphisms associated with predisposition to lung cancer prognosis</i>" (Responsabile Scientifico Dr. Tommaso A. Dragani).</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	<p>U.O. Basi Molecolari del Rischio Genetico e Modelli Poligenici, Dipartimento di Medicina Predittiva e per la Prevenzione, Fondazione IRCCS Istituto Nazionale Tumori, via Amadeo 42, 20133, Milano</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego 	<p>01/06/2006 - 31/12/2009</p> <p>Post-graduated Fellowship</p> <p>Borsa di Ricerca d'Istituto nell'ambito del progetto di ricerca "<i>Early innovative diagnostic procedures of lung cancer progression</i>" finanziato da AIIRC (Responsabile Scientifico Dr. Tommaso A. Dragani).</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	<p>U.O. Basi Molecolari del Rischio Genetico e Modelli Poligenici, Dipartimento di Medicina Predittiva e per la Prevenzione, Fondazione IRCCS Istituto Nazionale Tumori, via Amadeo 42, 20133, Milano</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego 	<p>10/12/2004 - 31/05/2006</p> <p>Training Fellowship</p> <p>Borsa di Ricerca d'Istituto nell'ambito della ricerca finalizzata 2004 "<i>Stato di Salute dei Calciatori Professionisti</i>" finanziata dal Ministero della Salute (Responsabile Scientifico Dr.ssa Emanuela Taioli).</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	<p>U.O. Epidemiologia Molecolare e Genetica presso l'Ospedale Maggiore Fondazione Policlinico IRCCS, via Pace 9, 20122, Milano</p>
ISTRUZIONE E FORMAZIONE	
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) 	<p>2012</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione 	<p>Master di secondo livello in Statistica Medica e Metodi Statistici per l'Epidemiologia, presso l'Università degli Studi di Milano, Facoltà di Medicina e Chirurgia, Sezione di Statistica Medica e Biometria "Giulio A. Maccacaro".</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Qualifica conseguita 	<p>Master di II Livello</p> <p>Titolo Tesi: "<i>Gene-expression profiles in normal tissue predict lung adenocarcinoma patients' survival?</i>"</p> <p>Internal Supervisor: Prof. Elia M. Biganzoli; External Supervisor: Dr. Tommaso A. Dragani</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Livello nella classificazione nazionale 	<p>ISCED5</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) 	<p>2007-2011</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione 	<p>PhD Degree Open University, London (UK), presso il centro di ricerca affiliato: Fondazione IRCCS Istituto Nazionale per lo studio e la cura dei Tumori, Milano</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Qualifica conseguita 	<p>PhD – Dottore di Ricerca</p> <p>Titolo Tesi: "<i>Genome-wide identification of functional polymorphisms modulating individual risk or prognosis of lung cancer</i>".</p> <p>Internal Supervisor: Dr. Tommaso A. Dragani; External Supervisor: Dr. Aage Haugen</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Livello nella classificazione nazionale 	<p>ISCED6</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) 	<p>2004-2006</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione 	<p>Laurea Magistrale in Biologia Molecolare della Cellula presso l'Università degli Studi di Milano, via Caloria 26, 20133 Milano</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Qualifica conseguita 	<p>Dottore Magistrale in Biologia Molecolare della Cellula</p> <p>Votazione 110/110 e lode</p> <p>Titolo Tesi: "<i>Analisi dell'intero genoma per l'identificazione di determinanti di rischio di cancro polmonare</i>".</p>

<ul style="list-style-type: none"> • Livello nella classificazione nazionale (se pertinente) 	ISCED5
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) 	2001-2004
<ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione 	Laurea Triennale in Scienze Biologiche (CL.12) curriculum Cellulare e Molecolare presso l'Università degli Studi di Siena, Facoltà di Scienze Matematiche, Fisiche e Naturali
<ul style="list-style-type: none"> • Qualifica conseguita 	Dottore Triennale in Scienze Biologiche Votazione 110/110 e lode Titolo Tesi: "Clonazione ed Espressione del Recettore mVEGFR-3".
<ul style="list-style-type: none"> • Livello nella classificazione nazionale (se pertinente) 	ISCED5
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) 	1996-2001
<ul style="list-style-type: none"> • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione 	Liceo Scientifico Statale "G. Galilei" di Siena
<ul style="list-style-type: none"> • Qualifica conseguita 	Maturità scientifica Votazione 100\100 con lode
<ul style="list-style-type: none"> • Livello nella classificazione nazionale (se pertinente) 	ISCED3
POSIZIONI	
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) 	2018-oggi
<ul style="list-style-type: none"> • Tipo di impiego 	Ricercatore a t.d. <i>Senior</i> - t. pieno art. 24 c.3-b L.240/10 - Settore concorsuale 05/I1- Genetica SSD BIO/18 – Genetica
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena, Siena, Italia
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) 	2016-2018
<ul style="list-style-type: none"> • Tipo di impiego 	Ricercatore a t.d. <i>Junior</i> - t. pieno art. 24 c.3-a L.240/10 - Settore concorsuale 06/A1- Genetica Medica SSD MED/03 - Genetica Medica
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena, Siena, Italia
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) 	2012-2016
<ul style="list-style-type: none"> • Tipo di impiego 	Post-Doc
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena, Siena, Italia
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) 	2011-2012
<ul style="list-style-type: none"> • Tipo di impiego 	Post-Doc
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	Dipartimento di Medicina Predittiva e per la Prevenzione, Fondazione IRCCS Istituto Nazionale per lo Studio e la Cura dei Tumori, Milano, Italia
ATTIVITÀ ISTITUZIONALI	
	<p>- <i>Membro della Commissione Paritetica</i> del Dipartimento di Biotecnologie Mediche a partire dall'a.a. 2019-2020.</p> <p>- <i>Referente per l'Internazionalizzazione</i> del Dipartimento di Biotecnologie Mediche dal 2019 (Delibera CdD 21.05.2019).</p> <p>- <i>Membro del Coordinamento Permanente del Dottorato</i> dal 2017 al 2022 (Disposizione del Direttore generale vicario prot. n. 729 del 7.07.2017, con rinnovo del D.D.G. rep. n. 3760/2019 prot. n. 188044 del 6.11.2019, proroga del D.D.G. rep. n. 66/2021 prot. n. 4231 del 14.1.2021, proroga del D.D.G. rep. n. 3483/2021 prot. n. 180660 del 8.10.2021).</p>
ATTIVITÀ DIDATTICHE	
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) 	2020-oggi
<ul style="list-style-type: none"> • Tipo di impiego 	Docente BIO/18 del Master di I livello in "Medical Genetics" (Master Executive)
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena

<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego • Luogo di lavoro 	<p>2019-oggi</p> <p>Docente per l'Insegnamento di GENE THERAPY (BIO/18) per il Corso di Laurea Magistrale in Genetic Counsellors (2° anno, I semestre) - 36 ore di didattica frontale e 100 ore di Professional Training</p> <p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego • Luogo di lavoro 	<p>2019-oggi</p> <p>Docente per l'Insegnamento di FORMAL GENETICS, STATISTICS, PROBABILITY AND RISK CALCULATION (BIO/18) per il Corso di Laurea Magistrale in Genetic Counsellors (1° anno, I semestre) - 100 ore di Professional Training</p> <p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego • Luogo di lavoro 	<p>2019-oggi</p> <p>Docente per il Tirocinio MED/03 nel Corso Integrato di Genetica Medica per il CdL Medicina e Chirurgia (2° anno, II semestre) - 60 ore di tirocinio</p> <p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego • Luogo di lavoro 	<p>2019-oggi</p> <p>Docente per il Tirocinio di Genetica Medica (MED/03) nel Corso Integrato di Patologia Medica per il CdL Medicina e Chirurgia (4° anno, I semestre) - 50 ore di tirocinio</p> <p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego • Luogo di lavoro 	<p>2018-2019</p> <p>Docente Insegnamento di Genetica Medica (MED/03) nel C.I. di Scienze Biomediche di Base per il Corso di Laurea in Igiene Dentale (1° anno, I semestre) - 16 ore di didattica frontale MUTUATO con Insegnamento di Genetica Medica (MED/03) nel C.I. di Basi Molecolari della Vita per il Corso di Laurea in Ortottica e Assistenza Oftalmologica (1° anno, I semestre) - 16 ore di didattica frontale</p> <p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego • Luogo di lavoro 	<p>2018-2019</p> <p>Docente Insegnamento di Genetica Generale (MED/03) alla Scuola di Specializzazione in Anatomia Patologica (2° anno) - 8 ore di didattica frontale</p> <p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego • Luogo di lavoro 	<p>2018-oggi</p> <p>Docente Insegnamento di Genetica Medica (MED/03) nel C.I. di Patologia Generale e Genetica Medica per il Corso di Laurea in Tecniche di Laboratorio Biomedico (1° anno, II semestre) - 20 ore di didattica frontale</p> <p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego • Luogo di lavoro 	<p>2018-oggi</p> <p>Docente Insegnamento di Laboratorio di Genetica Medica (MED/03) nel C.I. di Patologia Generale e Genetica Medica per il Corso di Laurea in Tecniche di Laboratorio Biomedico (1° anno, II semestre) - 20 ore di didattica frontale</p> <p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego • Luogo di lavoro 	<p>2017-oggi</p> <p>Docente del Dottorato di Ricerca in Genetica, Oncologia e Medicina Clinica (GenOMeC)</p> <p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego • Luogo di lavoro 	<p>2016-oggi</p> <p>Docente della Scuola di Specializzazione in Genetica Medica (di area medica e per accesso riservato ai "non medici")</p> <p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>

<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego • Luogo di lavoro 	<p>2015-2020</p> <p>Docente del Master di I livello in "Patologia Genetico-Molecolare"</p> <p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego 	<p>2015-2016</p> <p>Professore a contratto per Insegnamento di Genetica Medica (MED/03) nel C.I. di Patologia Generale e Genetica per il Corso di Laurea in Tecniche di Laboratorio Biomedico (1° anno, II semestre) - 20 ore di didattica frontale</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	<p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego 	<p>2014-2015</p> <p>Professore a contratto per Insegnamento di Genetica Medica (MED/03) nel C.I. di Patologia Generale e Genetica per il Corso di Laurea in Tecniche di Laboratorio Biomedico (1° anno, II semestre) - 20 ore di didattica frontale</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	<p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego 	<p>2013-2014</p> <p>Professore a contratto per Insegnamento di Genetica Medica (MED/03) nel C.I. di Patologia Generale e Genetica per il Corso di Laurea in Tecniche di Laboratorio Biomedico (1° anno, II semestre)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	<p>Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Siena</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di impiego 	<p>01/06/2012 – 31/09/2012</p> <p>Responsabile del corso di Biologia (24 ore) per la preparazione degli studenti alle prove di ammissione ai corsi universitari a numero chiuso (Medicina e Chirurgia e Lauree Tecnico-sanitarie).</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Luogo di lavoro 	<p>UniD Formazione</p> <p>Scuola Caselli – Via Roma – 53100 Siena</p>

CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE

CONOSCENZE INFORMATICHE

Linguaggio operativo MS DOS;

Programmi di videoscrittura; Uso dei pacchetti statistici SAS, MonteCarlo, R packages statistical tool, Review Manager, BRB ArrayTools, SPSS software;

Uso di strumenti di Microsoft Office™ (Word™, Excel™ e PowerPoint™) e altri pacchetti Office;

Uso delle applicazioni di progettazione grafica (PhotoShop™, GraphPad Prism)

Uso di Database Scientifici (NCBI, Ensembl genome, HapMap Project, Chromas, BLAST, Genomatix, etc.), dei programmi di Allineamento di sequenze (DNA Strider™) di sequenziamento EditView (ABI PRISMTM) e di analisi dell'esoma.

Analisi Bioinformatica di dati genetici e di espressione per l'identificazione e modellizzazione di sistemi;

Uso di approcci statistici e computazionali, algoritmi e tecnologie dell'informazione per elaborare e analizzare dati biologici e medici;

Uso dell'Intelligenza Artificiale con particolare attenzione all'apprendimento automatico, alla scoperta e alla sperimentazione di nuovi modelli di calcolo e le loro relazioni con la genomica.

CAPACITÀ E COMPETENZE ACQUISITE

Metodi di analisi standard per analisi qualitative e quantitative di acidi nucleici: estrazione, PCR, clonaggio, RealTime-PCR, analisi del RIN con lo strumento Agilent 2100 Bioanalyzer; Analisi di CNV con Array-CGH;

Esperienza pluriennale in genome-wide data analysis e studi di trascrittoma;

Tecniche di analisi genetica: SNP Array; SNP genotyping attraverso il pirosequenziamento; Sequenziamento classico con metodo Sanger e con tecnologia di Nuova Generazione;

Analisi di Biologia Molecolare e Cellulare, Colture, Western Blot, Immunoistochimica, FACS, etc.

Allestimento di studi di associazione per l'identificazione di loci e/o geni candidati associati alla tumorigenesi polmonare e alla sua prognosi;

Applicazione dei principi di informatica e bioinformatica alla ricerca clinica;

Esperienza nella biologia computazionale utilizzando i browser dedicati (NCBI, Ensembl genome, HapMap Project, ecc.).

Analisi dei dati utilizzando strumenti specifici per l'analisi della sequenza nucleotidica (Chromas, BLAST, Genomatix) e nell'analisi dei dati dell'intero esoma;

Competenze avanzate di Excel per gestione ed elaborazione di dati biomedici per studi comparativi di ampie dimensioni;

Approccio del Gene Editing per la correzione di sequenze di DNA;

Uso di software per l'analisi statistica di dati biologici e non (SAS, MonteCarlo, R packages, BRB ArrayTools, Review Manager, SPSS, Ingenuity Pathways Analysis, DAVID Functional Annotation Tool);

Esperienza nella scrittura di progetti e articoli scientifici e nella revisione di articoli scientifici per riviste internazionali;

Esperienza di insegnamento agli studenti pre-universitari e universitari;

Esperienza di tutoraggio e supervisione di studenti laureandi e dottorandi.

PREMI E RICONOSCIMENTI

- Date (da – a) 2011
- Tipo di Premio Premio "Galilei Giovani" Young Research Scientist Award
- Assegnato da Rotary International (District 2100 – Italy)

AFFILIAZIONE A SOCIETÀ SCIENTIFICHE

Società Italiana di Genetica Umana (SIGU)
 Società Italiana di Cancerologia (SIC)
 American Society of Human Genetics (ASHG)

PARTECIPAZIONE A COMITATI EDITORIALI

- Date (da – a) 2018
- Tipo di Rivista Scientifica internazionale
- Titolo della Rivista Journal of Integrative Medicine

- Date (da – a) 2018
- Tipo di Rivista Scientifica internazionale
- Titolo della Rivista Future Research in Cancer and Medicine

- Date (da – a) 2017
- Tipo di Rivista Scientifica internazionale
- Titolo della Rivista Journal of Pulmonary & Respiratory Sciences (OAJPRS)

- Date (da – a) 2021
- Tipo di Rivista Scientifica internazionale
- Titolo della Rivista American Journal of Life Sciences (AJLS)

<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di Rivista • Titolo della Rivista 	<p>2022 Scientifica internazionale Frontiers in Genetics Research Topic “Current Trends and Future Perspectives about Liquid Biopsy”</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di Rivista • Titolo della Rivista 	<p>2022 Scientifica internazionale Frontiers in Oncology Research Topic “Pharmacogenetic landscape in Human Solid Cancers”</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di Rivista • Titolo della Rivista 	<p>2022 Scientifica internazionale Cancers Special Issue “Liquid Biopsy for Lung Cancer Treatment”</p>
<p>CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI</p> <p>MADRELINGUA</p> <p><i>ALTRE LINGUA</i></p> <ul style="list-style-type: none"> • Capacità di lettura • Capacità di scrittura • Capacità di espressione orale <p><i>ALTRE LINGUA</i></p> <ul style="list-style-type: none"> • Capacità di lettura • Capacità di scrittura • Capacità di espressione orale 	<p>ITALIANO</p> <p>INGLESE Attestato di idoneità internazionale per la lingua inglese PET CAMBRIDGE level 2, rilasciato dalla Cambridge University Eccellente Ottimo Ottimo</p> <p>FRANCESE Scolastico Scolastico Scolastico</p>
<p>CREAZIONE DI IMPRESE E BREVETTI</p> <ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Tipo di Impresa • Nome dell'Impresa • Ruolo 	<p>05/02/2018 Spin-off universitaria Siena Gen Test (SGT) - http://sienagentest.dbm.unisi.it Socio nel Consiglio di Amministratore e Membro fondatore Nominato Socio vicario per la partecipazione al Comitato di Gestione della Rete SAIHUB</p>
<p>ATTIVITÀ DIAGNOSTICA</p>	<p>Disabilità intellettiva: analisi dell'array CGH in pazienti affetti da deficit cognitivo, autismo e anomalie congenite multiple. Carcinoma midollare della tiroide: screening pRET in pazienti affetti da carcinoma tiroideo sporadico e familiare.</p>
<p>RELATORE A CONGRESSI, CONVEGNI E CORSI</p> <ul style="list-style-type: none"> • Titolo intervento • Congresso, convegno, Corsi • Data • Luogo • Titolo intervento • Congresso, convegno, Corsi 	<p>The personalized inherited signature predisposing to non-small cell lung cancer in non-smokers. XIX Congresso Nazionale SIGU 2016 23-26 Novembre 2016 Torino (Italia)</p> <p>Big Data in Medical Genetics: the Genomic Medicine. Corso Soft Skills nell'ambito dei corsi trasversali nei Dottorati di ricerca - A.A. 2017/2018</p>

• Data	21 Febbraio 2018
• Luogo	Siena (Italia)
• Titolo intervento	Gene Therapy in PCDH19.
• Congresso, convegno, Corsi	PCDH19 World Conference
• Data	22-23 Novembre 2019
• Luogo	Roma (Italia)
ABILITAZIONE SCIENTIFICA NAZIONALE	SETTORE CONCORSUALE 05/11 – GENETICA II FASCIA - Dal 12/04/2017 al 12/04/2023
	SETTORE CONCORSUALE 06/A1 – GENETICA MEDICA II FASCIA - Dal 02/02/2022 al 02/02/2031

ABSTRACT E POSTER

1. **Frullanti E**, Forti S, Raimondi S, Benhamou S, Cascorbi I, Dally H, Le Marchand L, London SJ, Risch A, Spitz MR, Stucker I, Wu X, Yang P, Taioli E. *Age and gender differences in the association between MPO 463G→A and lung cancer. Results from the Genetic Susceptibility to Environmental Carcinogens pooled analysis*. 1ST World Congress on Gender-Specific Medicine, Men, women and medicine, Berlin (Germany), 23-26 February 2006. Poster presentation.
2. **Frullanti E**, Galvan A, Falvella FS, Dragani TA. *Genome-Wide Identification Of Functional Polymorphisms Modulating Individual Risk Of Lung Cancer*. 6th Joint PhD Student Workshop, Riva del Garda (Italy), 21-23 January 2008. Poster presentation.
3. **Frullanti E**, Galvan A, Falvella FS, Dragani TA. *Genome-Wide Identification Of Functional Polymorphisms Modulating Individual Risk Of Lung Cancer*. 20th Meeting of the European Association for Cancer Research (EACR), Lyon (France), 5-8 July 2008. Poster presentation. Published in EJC SUPPLEMENTS, 6(9):42-42. Poster presentation.
4. **Frullanti E**, Galvan A, Falvella FS, Dragani TA. *Genome-wide association study in discordant sibships identifies multiple inherited susceptibility alleles linked to lung cancer*. Irish Association for Cancer Research Annual Meeting, Galway, Ireland, 3-5 March 2010. Poster Presentation.
5. **E. Frullanti**, C. Berking, N. Harbeck, P. Jézéquel, A. Haugen, C. Mawrin, O. Parise Jr., H. Sasaki, N. Tsuchiya, T. A. Dragani. *FGFR4 GLY388ARG POLYMORPHISM MODULATES CANCER PATIENTS' SURVIVAL*. 16th Charles Heidelberger Symposium on Cancer Research, Coimbra, 26-28 September 2010. Poster Presentation.
6. **E. Frullanti**, C. Berking, N. Harbeck, P. Jézéquel, A. Haugen, C. Mawrin, O. Parise Jr., H. Sasaki, N. Tsuchiya, T. A. Dragani. *FGFR4 GLY388ARG POLYMORPHISM MODULATES CANCER PATIENTS' SURVIVAL*. 52^o Annual Meeting of the Italian Cancer Society – LOST IN TRANSLATION: bridging the gap between cancer research and effective therapies, Rome, October 4-7 2010. Poster Presentation.
7. **E. Frullanti**, F. Colombo, F.S. Falvella, A. Galvan, S. Noci, L. De Cecco, M. Incarbone, L. Santambrogio, U. Pastorino, T. A. Dragani. *Lung adenocarcinoma clinical stage is associated with gene expression pattern in adjacent normal lung tissue*. 53^o Annual Meeting of the Italian Cancer Society – Back to the Future: Translating Cancer Research from Bedside to Bench and Back, Turin, 19-22 October 2011. Poster Presentation.
8. **E. Frullanti**, Falvella FS, Noci S, De Cecco L, Incarbone M, Alloiso M, Santambrogio L, Tosi D, Nosotti M, Pastorino U, Dragani TA. *ECM-receptor interaction signature in normal tissue distinguishes lung adenocarcinoma patients from patients with lung metastasis*. 22nd Biennial Congress of the European Association for Cancer Research (EACR), Barcelona (Spain), 7-10 July 2012. Poster Presentation. Published in EJC SUPPLEMENTS, 48: S159-S160. Poster presentation.

9. Disciglio V, Mencarelli MA, Mucciolo M, Ndoni E, **Frullanti E**, Marozza A, Di Marco C, Lo Rizzo C, Baldassarri M, Massarelli A, Canocchi V, Anderlid BM, Metcalfe K, Le Caignec C, David A, Fryer A, Boute O, Pecile V, Battini R, Novelli A, Fichera M, Romano C, Mari F, Renieri A. Interstitial 22q13 deletions not involving SHANK3 gene: a new gene contiguous syndrome? SIGU 2012, Sorrento (Italy), 21-24 November 2012. Oral Presentation.
10. Fallerini C, Dosa L, Tita R, **Frullanti E**, Del Prete D, Feriozzi S, Gai G, Clementi M, La Manna A, Miglietti N, Mancini R, Mandrile G, Ghiggeri G, Piaggio G, Brancati F, Diano L, Frate E, Pinciaroli A, Giani M, Castorina P, Bresin E, Giachino D, De Marchi M, Mari F, Bruttini M, Renieri A, Ariani F. Unbiased next generation sequencing analysis confirms the existence of autosomal dominant Alport syndrome in a relevant fraction of cases. 2014 International Workshop on Alport Syndrome, Oxford (UK), 2-3 January 2014. Oral Presentation.
11. **Frullanti E**, Meloni I, Bruttini M, Dosa L, Fallerini C, Mari F, Renieri A. Italian Alport National Registry and Biobank. 2014 International Workshop on Alport Syndrome, Oxford (UK), 2-3 January 2014. Poster Presentation.
12. G. Livide, L. Massimino, S. Amabile, A. Bartolini, **E. Frullanti**, I. Meloni, F. Ariani, V. Broccoli, A. Renieri. Sindrome di Rett congenita: studio del ruolo del gene foxg1 nel Cervello adulto. SIGU Roma, Italia. 25-28 Settembre 2013. Poster Presentation.
13. **Frullanti E**, Mencarelli MA, Baldassarri M, Cetta F, Mari F, Furini S, Piu P, Dragani TA, Ariani F, Renieri A. Oligogenic germline mutations predispose to early lung adenocarcinoma in non-smokers. ESHG 2014, Milano (Italy) 31 May-3 June 2014. Poster Presentation.
14. **Frullanti E**, Mencarelli MA, Cetta F, Baldassarri M, Mari F, Furini S, Piu P, Dragani TA, Ariani F, Renieri A. Whole exome sequencing approach in sib pairs identifies oligogenic germline mutations predisposing to early lung adenocarcinoma in nonsmokers. ASHG 2014, San Diego (USA). Poster Presentation.
15. Meloni I, Amabile S, Landucci E, Patriarchi T, **Frullanti E**, Pinto AM, Lo Rizzo C, Ariani F, Mari F, Mencarelli MA, Hell KW, Renieri A. Contribution of imbalance of excitatory/inhibitory synaptic expression in MECP2, CDLK5 and FOXG1-related disorders. The European Human Genetics Conference 2014, Milan (Italy), May 31 – June 3, 2014. Oral presentation.
16. Meloni I, Amabile S, Landucci E, Patriarchi T, **Frullanti E**, Pinto AM, Lo Rizzo C, Ariani F, Mari F, Mencarelli MA, Hell KW, Renieri A. Imbalance of excitatory/inhibitory synaptic expression in Rett syndrome iPSC-based neuronal models. The European Human Genetics Conference 2015, Glasgow, Scotland (UK), June 6 - 9, 2015. Poster Presentation.
17. Bruttini M, Baldassarri M, Fallerini C, Garosi G, **Frullanti E**, Pinto AM, Mencarelli MA, Ariani F, Renieri A. Apparent autosomal dominant inheritance in Alport syndrome due to a double hit in COL4A5 gene. International Workshop on Alport Syndrome, Göttingen, September 25-27, 2015. Poster Presentation.
18. Fallerini C, Da Sacco S, Pinto AM, Furini S, Meloni I, Baldassarri M, **Frullanti E**, Ariani F, Perin L, Renieri A. Transcriptome profiling of podocytes differentiated from amniotic-fluid derived patient progenitors sheds light on Alport syndrome's pathogenesis. International Workshop on Alport Syndrome, Göttingen, September 25-27, 2015. Poster Presentation.
19. Renieri A, Bruttini M, Meloni I, Baldassarri M, Mari F, Fallerini C, Ariani F, **Frullanti E**, DePalo T, Ghiggeri GM, Giani M, La Manna A, MannoC, Meroni M, Pecoraro C, Pennesi C, Peruzzi L, Riegler P, Scolari F, Massella L. Italian Alport National Registry and Biobank. International Workshop on Alport Syndrome, Göttingen, September 25-27, 2015. Poster presentation.

20. Landucci E, Patriarchi T, Amabile S, **Frullanti E**, Pinto AP, Lo Rizzo C, Ariani F, Mari F, Mencarelli MA, Hell JW, Renieri A, Meloni I. Contribution of excitatory/inhibitory synaptic imbalance to MECP2, CDKL5 and FOXP1 related disorders. 17th International workshop on Fragile X and other Early-Onset Cognitive Disorders. Strasbourg (France), September 27-30, 2015. Oral Presentation.
21. Pinto AM, Da Sacco S, Fallerini C, Furini S, Meloni I, Baldassarri M, **Frullanti E**, Ariani F, Perin L, Renieri A. Learning pathophysiology of Alport syndrome from RNA-seq of podocytes differentiated from amniotic-fluid derived patient progenitors. American Society of Human Genetics 65th Annual Meeting 2015, Baltimore (Maryland, USA), October 6-10, 2015. Poster Presentation.
22. Pinto AM, Da Sacco S, Fallerini C, Furini S, Meloni I, Baldassarri M, **Frullanti E**, Ariani F, Perin L, Renieri A, Mari F. L'analisi di RNAseq di podociti indotti da amniociti Alport mostra una riduzione generalizzata dei geni della matrice extracellulare e una sovraespressione di v itochine infiammatorie. XVIII Congresso Nazionale della Società Italiana di Genetica Umana (SIGU), Rimini, 21-24 October 2015. Oral Presentation.
23. Ariani F, Bianciardi L, Landucci E, Imperatore V, Lo Rizzo C, Bizzarri V, Mencarelli MA, **Frullanti E**, Renieri A, Meloni I. FOXP1 mutated iPSCs-derived neurons are prone to premature differentiation and show Wnt and TGF-beta signaling pathway alterations. XVIII Congresso Nazionale della Società Italiana di Genetica Umana (SIGU), Rimini, 21-24 October 2015. Poster Presentation.
24. Meloni I, Landucci E, Bianciardi L, Amabile S, Furini S, Vaccarino F, Imperatore V, Lo Rizzo C, Mencarelli MA, **Frullanti E**, Ariani F, Renieri A. RNA sequencing analysis in iPSCs derived Rett neurons. 4° EuroRett meeting 2015, Rome, October 30-November 1, 2015. Oral Presentation.
25. Pinto A, E. Landucci, L. Bianciardi, S. Daga, **E. Frullanti**, M. Brindisi, S. Butini, V. Imperatore, F. Ariani, S. Brogi, G. Campiani, A. Renieri, I. Meloni. Common morphological and transcriptome changes in Rett spectrum disorders justify a shared therapeutic approach. The European Human Genetics Conference (ESHG) 2016, Barcelona (Spain), May 21-24, 2016. Oral Presentation.
26. Fallerini C, M. Baldassari, **E. Frullanti**, M. Mencarelli, A. La Manna, G. Garosi, D. Del Prete, A. Pinto, F. Ariani, F. Mari, A. Renieri. The coexistence of two causative mutations leads to reconsider Alport syndrome pattern of inheritance. The European Human Genetics Conference (ESHG) 2016, Barcelona (Spain), May 21-24, 2016. Poster presentation.
27. E. Landucci, L. Bianciardi, S. Daga, A.M. Pinto, **E. Frullanti**, M. Brindisi, S. Butini, V. Imperatore, F. Ariani, S. Brogi, G. Campiani, A. Renieri, I. Meloni. Shared therapeutic approaches are justified by common morphological and transcriptome changes in Rett spectrum disorders. ASHG 2016, Vancouver (Canada), October 18-22, 2016. Oral presentation.
28. **E. Frullanti**, C. Fallerini, M. Baldassarri, M. Ghisalberti, C. Bellan, F. Cetta, S. Furini, P. Paladini, G. Gotti, F. Ariani, A. Renieri. The personalized inherited signature predisposing to non-small cell lung cancer in non-smokers. SIGU 2016, Torino (Italy), November 23-26, 2016. Oral presentation.
29. E. Landucci, L. Bianciardi, S. Daga, A.M. Pinto, **E. Frullanti**, M. Brindisi, S. Butini, V. Imperatore, F. Ariani, S. Brogi, G. Campiani, A. Renieri, I. Meloni. L'analisi del profilo trascrizionale dei neuroni ottenuti da iPSCs di pazienti affette da sindrome di Rett rivela alterazioni dei circuiti GABAergici e del network neuronale. SIGU 2016, Torino (Italy), November 23-26, 2016. Oral presentation.
30. **Frullanti E**, Fallerini C, Baldassarri M, Ghisalberti M, Bellan C, Cetta F, Furini S, Paladini P, Gotti G, Ariani F, Renieri A. Omic approach in non-smokers with adenocarcinoma pinpoints to germline susceptibility and personalized medicine. ESHG 2017, Copenhagen (Denmark), May 27-30, 2017. Poster Presentation.

31. Daga S, Baldassarri M, Lo Rizzo C, Fallerini C, Imperatore V, Longo I, **Frullanti E**, Ariani F, Mencarelli MA, Mari F, Pinto AM, Renieri A. Podocytes differentiated from urine renal precursor as a tool for Alport syndrome diagnosis and for assessing therapeutic strategies based on patient-derived cells. ESHG 2017, Copenhagen (Denmark), May 27–30, 2017. Oral presentation.
32. Pinto AM, Daga S, Baldassarri M, Lo Rizzo C, Fallerini C, Imperatore V, Longo I, **Frullanti E**, Massella L, Pecoraro C, Garosi G, Ariani F, Mencarelli MA, Mari F, Renieri A. Urine-derived podocytes-like cells: from a diagnostic to a CRISPR/Cas9 gene therapy perspective in Alport syndrome. ASHG, Orlando (USA), 17-21 October 2017. Poster presentation.
33. Papa FT, A.M. Pinto, **E. Frullanti**, I. Meloni, R. Tita, R. Caselli, C. Fallerini, D. Lopercolo, M.A. Mencarelli, M. Bocchia, Gozzetti, A. Renieri. A. Low-level TP53 mutational load antecedes clonal expansion in Chronic Lymphocytic Leukemia. SIGU 2017, Napoli (Italy), November 15-18, 2017. Poster presentation.
34. S. Daga, F. Donati, M. Baldassarri, C. Lo Rizzo, C. Fallerini, E. Landucci, V. Imperatore, I. Longo, **E. Frullanti**, L. Massella, C. Pecoraro, G. Garosi, F. Ariani, M. A. Mencarelli, F. Mari, M. Doria, A. Auricchio, S. Conticello, A. Renieri, A. M. Pinto. CRISPR/Cas9 engineering approach on urine derived podocyteslineage cells: a new therapeutic perspective in treatment of ATS. SIGU 2017, Napoli (Italy), November 15-18, 2017. Oral presentation.
35. A. Currò, A. M. Pinto, F. Mari, **E. Frullanti**, V. Imperatore, D. Lopercolo, M. A. Mencarelli, A. Renieri, C. Lo Rizzo. Re-reading parents' exome for solving clinical issues. SIGU 2017, Napoli (Italy), November 15-18, 2017. Oral presentation.
36. Papa FT, A.M. Pinto, F.C. Lorenzetti, **E. Frullanti**, I. Meloni, R. Tita, R. Caselli, C. Fallerini, D. Lopercolo, M.A. Mencarelli, M. Bocchia, Gozzetti, A. Renieri, , F. Mari. Low level of TP53 mutation can be detected by NGS years before CLL clinical/laboratory diagnosis. ESHG 2018, Milan (Italy), June 16-19, 2018. Poster presentation.
37. A.M. Pinto, M. Palmieri, A. Currò, **E. Frullanti**, A. Giliberti, C. Fallerini, M. Vaghi, A. Renieri, "Malformazioni vascolari: nuovo sistema di biopsia liquida-NGS e terapia personalizzata" Italian Society of Human Genetics (SIGU) 2019, Roma, Italy, November 13-16. Poster Presentation.
38. A.M. Pinto, M. Palmieri, A. Currò, **E. Frullanti**, A. Giliberti, C. Fallerini, F. Molinaro, M. Vaghi, A. Renieri, "Nuovo sistema di biopsia liquida-NGS nelle malformazioni vascolari per terapia personalizzata" VII Congresso Nazionale Società Italiana per lo studio delle anomalie vascolari (SISAV), Firenze, Italy, October 24-26. Oral Presentation
39. M. Palmieri, M. Baldassarri, F. Fava, A. Fabbiani, E. Gelli, G. Doddato, R. Tita, P. Torre, R. Petrioli, T. Hadjstilianou, D. Galimberti, E. Cinotti, C. Bengala, M. Mandalà, S.T. Miano, I. Martellucci, A. Vannini, A.M. Pinto, M.A. Mencarelli, S. Marsili, A. Renieri, **E. Frullanti**. "Espansione clonale digenica è responsabile della progressione di malattia e target terapeutico nei tumori in stadio avanzato" Italian Society of Human Genetics (SIGU) 2019, Roma, Italy, November 13-16. Poster Presentation.
40. Meloni I, Daga S, Croci S, Capitani K, Donati F, Carriero ML, **Frullanti E.**, Papa F.T. , Lamacchia V.,Tita R., Giliberti A., Valentino F., Benetti E., Furini S., Lo Rizzo C., Pinto A.M., Conticello S.G., Renieri A. "Advantages and disadvantages of gene editing as a therapeutic approach for monogenic diseases affecting different organs." Italian Society of Human Genetics (SIGU) 2019, Roma, Italy, November 13-16. Poster Presentation.
41. Daga S., Rivera C., Clark S., Donati F., Capitani K., Croci S., Giliberti A., Valentino F., Ariani F., Tita R., Fallerini C., Mencarelli M.A, Baldassarri M., Benetti E., Furini S., **Frullanti E.**, Niccheri F., Auricchio A., Conticello S., Nabity M., Pinto A.M, Renieri A. "Gene editing con CRISPR/Cas9 in un modello naturale di cane con sindrome di Alport." Italian Society of Human Genetics (SIGU) 2019, Roma, Italy, November 13-16. Poster Presentation.

42. Croci S, Carriero M.L., Capitani K., Daga S., Donati F., **Frullanti E.**, Lamacchia V., Tita R. 2, Giliberti A., Valentino F., Benetti E., Ciabattini A., Furini S., Lo Rizzo C., Pinto A.M., Conticello S.G., Renieri A., Meloni I. "High Rate of HDR in gene editing of T158M MECP2 mutational hotspot." Italian Society of Human Genetics (SIGU) 2019, Roma, Italy, November 13-16. Poster Presentation.
43. Carriero M.L., Croci S., Capitani K., Daga S, Donati F., Papa F.T, **Frullanti E.**, Lopergolo D., Lamacchia V, Tita R., Giliberti A., Benetti E., Niccheri F., Furini S., Lo Rizzo C, Conticello S.G., Renieri A., Meloni I. "AAV-mediated FOXG1 gene editing in human Rett primary cells." Italian Society of Human Genetics (SIGU) 2019, Roma, Italy, November 13-16. Poster Presentation.
44. **E. Frullanti**, M. Palmieri, M. Baldassarri, F. Fava, A. Fabbiani, E. Gelli, R. Tita, P. Torre, R. Petrioli, T. Hadjistilianou, D. Galimberti, E. Cinotti, C. Bengala, M. Mandalà, S.T. Miano, I. Martellucci, A. Vannini, A.M. Pinto, M.A. Mencarelli, S. Marsili, A. Renieri, "Two point-NGS analysis of cancer driver genes in cell free-DNA of metastatic cancer patients" American Society of Human Genetics (ASHG) 2019, Houston, Texas, October 15-19. Poster Presentation.
45. M. Palmieri, L. di Blasio, A. Currò, V. Monica, L. Di Sarno, G. Doddato, **E. Frullanti**, G. Chaiverina, A. Giliberti, B. Mussolin, C. Fallerini, F. Molinaro, M. Vaghi, L. Primo, A. Renieri, A.M. Pinto, "New revolutionary approach for Klippel-Trenaunay Syndrome: cfDNA NGS-Liquid Biopsy" European Society of Human Genetics (ESHG) 2020, June 6-9. Poster Presentation.
46. C. Lorenzetti, F.T. Papa, M. Palmieri, E. Frullanti, F. Donati, F. Niccheri, F. Valentino, A. Gozzetti, M. Bocchia, S.G. Conticello, A. Renieri, F. Mari, "Personalized therapy for TP53 mutated cancer patients based on CRISPR-Cpf1 and suicide gene delivery" Advanced Therapies Sciences Meeting, 2019 Berlin, Germany, November 25-26, 2019. Poster Presentation.
47. **E. Frullanti**, M. Palmieri, M. Baldassarri, F. Fava, A. Fabbiani, E. Gelli, R. Tita, P. Torre, R. Petrioli, T. Hadjistilianou, D. Galimberti, E. Cinotti, M.A. Mencarelli, A.M. Pinto, E. Francini, S. Marsili, G. Francini, A. Renieri "Specific clonal expansion at disease progression (PD) in solid cancers pinpointed by cell free DNA analysis" ASCo 2019, Chicago, May 31-June 4, 2019. Poster Presentation.
48. M. Palmieri, M. Baldassarri, F. Fava, A. Fabbiani, E. Gelli, G. Doddato, R. Tita, P. Torre, R. Petrioli, T. Hadjistilianou, D. Galimberti, E. Cinotti, C. Bengala, M. Mandalà, S.T. Miano, I. Martellucci, A. Vannini, A.M. Pinto, M.A. Mencarelli, S. Marsili, A. Renieri, **E. Frullanti**. "Cell-free DNA pinpoints specific clonal expansion at disease in solid cancers" European Society of Human Genetics Congress, Gothenburg, Sweden, June 15-18, 2019. Oral presentation.
49. A.M. Pinto, M. Palmieri, A. Currò, **E. Frullanti**, A. Giliberti, C. Fallerini, F. Molinaro, M. Vaghi, A. Renieri "CfDNA NGS Liquid-Biopsy: a new revolutionary approach for Klippel-Trenaunay Syndrome" ISSVA International Workshop 2020, Vancouver, Canada, May 12-15. Oral presentation.
50. Daga S, Capitani K, Donati F., Beligni G., Croci S., Valentino F., Fallerini C., Tita R., Rivera C., Clark S., Mencarelli M.A., Baldassarri M., Benetti E., Furini S., **Frullanti E.**, Nability M., Auricchio A., Conticello S.G., Renieri A., Pinto A.M. CRISPR/Cas9 gene editing approach completely repaired the causative COL4A5 10bp deletion in a naturally occurring dog model of Alport Syndrome. ESHG2020. Oral presentation.
51. M. Palmieri, L. di Blasio, A. Currò, V. Monica, L. Di Sarno, G. Doddato, **E. Frullanti**, G. Chaiverina, A. Giliberti, B. Mussolin, C. Fallerini, F. Molinaro, M. Vaghi, L. Primo, A. Renieri, A.M. Pinto. New revolutionary approach for Klippel-Trenaunay Syndrome: cfDNA NGS-Liquid Biopsy. ESHG2020. Oral presentation.

52. M. Palmieri, A. Currò, A. Tommasi, G. Doddato, A. Giliberti, C. Fallerini, L. Di Sarno, M. Vaghi, L. Primo, A. Renieri, **E. Frullanti**, A.M. Pinto. "Non-invasive efferent-vein NGS-Liquid biopsy allows a clinical classification of complex vascular malformations for a tailored therapeutic approach" Italian Society of Human Genetics (SIGU) 2020, virtual edition, November 11-13. Oral presentation.
53. M. Baldassarri, N. Picchiotti, F. Fava, C. Fallerini, E. Benetti, S. Daga, F. Valentino, G. Doddato, S. Furini, A.Giliberti, R. Tita, S. Amitrano, M. Bruttini, S. Croci, I. Meloni, A.M. Pinto, C. Gabbi, M. Gori, M.G. Castagna, L. Di Sarno, A. Tommasi, M. Palmieri, M.A. Mencarelli, C. Lo Rizzo, M.S. GEN-COVID, A. Renieri, **E. Frullanti**, F. Mari. Short polyQ alleles at androgen receptor gene contribute to protection against life-threatening COVID-19 susceptibility in males. SIGU2020. Poster Presentation.
54. E. Benetti, M. Sanarico, N. Picchiotti, S. Daga, C. Fallerini, M. Baldassarri, F. Fava, F. Valentino, G. Doddato, A. Giliberti, R. Tita, S. Amitrano, M. Bruttini, S. Croci, I. Meloni, A.M. Pinto, M. Gori, L. Di Sarno, A. Tommasi, M. Palmieri, M.A. Mencarelli, C. Lo Rizzo, E.Frullanti, F. Mari, **GEN-COVID**, A. Renieri, S. Furini. "Topological Data Analysis on boolean representation of genome variability as a method for discovering the genetic bases of complex disorders. SIGU2020. Poster Presentation.
55. Daga S, Capitani K, Donati F, Beligni G, Croci S, Valentino F, Giliberti A, Fallerini C, Tita R, Rivera C, Clark S, Mencarelli MA, Baldassarri M, Benetti E, Furini S, **Frullanti E**, Nabity M, Auricchio A, Conticello SG, Renieri A, Pinto A.M. "High HDR efficiency in restoring the causative COL4A5 10bp deletion through a CRISPR/Cas9 gene editing approach in a naturally occurring dog model of Alport Syndrome". SIGU2020. Poster Presentation
56. Croci S, Capitani K, Carriero ML, Daga S, Donati F, Beligni G, **Frullanti E**, Lamacchia V, Tita R, Giliberti A, Valentino F, Benetti E, Ciabattini A, Furini S, Lo Rizzo C, Pinto A.M., Conticello S.G, Renieri A, Meloni I. Efficient correction of MECP2 mutational hotspot with gene editing restores MeCP2 protein levels. SIGU2020. Poster Presentation
57. Alessandra Renieri, Nicola Picchiotti, Elisa Benetti, Chiara Fallerini, Sergio Daga, Margherita Baldassarri, Francesca Fava, Kristina Zguro, Floriana Valentino, Gabriella Doddato, Annarita Giliberti, Rossella Tita, Sara Amitrano, Mirella Bruttini, Laura Di Sarno, Nicola Iuso, Diana Alaverdian, Giada Beligni, Susanna Croci, Maria Palmieri, Ilaria Meloni, Anna Maria Pinto, Chiara Gabbi, Stefano Ceri, Antonio Esposito, Pietro Pinoli, Francis P. Crawley, Elisa Frullanti, Francesca Mari, GEN-COVID Multicenter Study, Marco Gori⁴, Simone Furini. Post-Mendelian genetic model in COVID-19. ESHG Virtual Conference 2021. Virtual Edition, August 28–31, 2021. Oral Presentation.
58. A. Renieri, N. Picchiotti, K. Zguro, C. Fallerini, S. Daga, M. Baldassarri, F. Fava, M. Tanfoni, E. Benetti, F. Valentino, G. Doddato, A. Giliberti, R. Tita, S. Amitrano, M. Bruttini, L. Di Sarno, D. Alaverdian, G. Beligni, S. Croci, M. Palmieri, I. Meloni, A. Pinto, C. Gabbi, S. Ceri, A. Esposito, M. Gori, E. Frullanti, F. Mari, GEN-COVID Multicenter Study, S. Furini. Common, low frequency, rare and ultra-rare variants contribute to COVID-19 severity. ASHG 2021 Virtual Meeting. October 18-22, 2021. E-Poster.
59. Serio VB, Palmieri M, Baldassarri M, Fava F, Fabbiani A, Tita R, Mencarelli MA, Renieri A, Frullanti E. Liquid Biopsy: a new strategy to face different advanced solid cancers. 2nd international Conference "Cancer Metastasis" (virtual event), Dec 13-17, 2021. Oral Presentation.
60. Palmieri M, Serio VB, Baldassarri M, Lo Rizzo C, Mencarelli MA, Mari F, Fabbiani A, Carrer A, Caputo V, Granata S, Fava F, Ciabatti P, Boccuzzi S, Salerno L, Mandalà M, Martellucci I, Renieri A, Frullanti E. Next-Generation Sequencing of circulating DNA: an innovative approach to detect, monitor and treat head and neck cancer. ESHG 2022, Vienna, Austria. June 11-14, 2022. Hybrid Poster Presentation.

61. Rosati D, Barbarino M, Bellan C, Palmieri M, Frullanti E, Luzzi L, Brunelli G, Furini S, Iannelli F, Mutti L, Giordano A. Malignant pleural mesothelioma: clinicopathologic and differential gene expression analysis for mesothelial hyperplasia differential diagnosis. Nona Edizione della Giornata Toscana di Bioinformatica e Systems Biology (Bioinformatica 9). Pisa, September 16, 2022.

PARTECIPAZIONE A CONGRESSI E MEETING

1st World Congress on Gender-Specific Medicine, "Men, women and medicine", Berlin (Germany), 23-26 February 2006.

6th Joint PhD Student Workshop, Riva del Garda (Italy), 21-23 January 2008.

20th Meeting of the European Association for Cancer Research (EACR), Lyon (France), 5-8 July 2008

4th meeting A.I.F.E.G.-SIGU: *Predisposizione Allo Sviluppo Di Tumori Gastrointestinali: Il Ruolo Dei Geni A Bassa Penetranza*, Villa San Fermo, Lonigo, Vicenza (Italy), 12-13 May 2009

Irish Association for Cancer Research Annual Meeting, Galway (Ireland), 3-5 March 2010

16th Charles Heidelberger Symposium on Cancer Research, Coimbra (Portugal), 26-28 September 2010.

52^o Annual Meeting of the Italian Cancer Society – *LOST IN TRANSLATION: bridging the gap between cancer research and effective therapies*, Rome, 4-7 October 2010.

53^o Annual Meeting of the Italian Cancer Society – *Back to the Future: Translating Cancer Research from Bedside to Bench and Back*, Turin, 19-22 October 2011

22nd Biennial Congress of the European Association for Cancer Research (EACR), Barcelona (Spain), 7-10 July 2012.

XXVII Conferenza nell'ambito delle Conferenze dei Presidi sulle Malattie Rare "La centralità della Toscana nella ricerca mondiale su una malattia rara: l'alcaptonuria", Azienda Ospedaliera Careggi, Florence, Italy, 3 October 2012

3^o Conferenza Nazionale sulla Ricerca Sanitaria, Villa Erba, Cernobbio, Como (Italy), 12-13 November 2012.

EPIRARE Second International Workshop "Rare disease and orphan drug registries", Rome, Italy, 21-22 October 2013.

Primo concorso *LEAN*, Azienda Ospedaliera Universitaria Senese Siena, Italy, 10 December 2013.

European Human Genetics Conference (ESHG) 2014 in conjunction with The European Meeting on Psychosocial Aspects of Genetics (EMPAG) 2014 and the Società Italiana di Genetica Umana (SIGU), Milan, Italy, May 31 – June 3, 2014.

Workshop "European Reference Networks", Istituto Superiore di Sanità, Roma, Italy, 3 July 2015.

XVIII Congresso Nazionale Società Italiana di Genetica Umana (SIGU), Rimini, Italy, October 21-24, 2015.

XIX Congresso Nazionale Società Italiana di Genetica Umana (SIGU), Torino (Italy), 23-26 November 2016.

Workshop "Lo screening del tumore polmonare con TC a bassa dose: risultati dello studio randomizzato toscano ITALUNG", Firenze (Italy), 19 December 2016.

Giornata Mondiale delle Malattie Rare in Toscana – “*La Ricerca offre speranza per le Malattie Rare*”, Siena (Italy), 28 february 2017

The 2017 International workshop on Alport Syndrome, Glasgow, Scotland (UK), 4-6 September 2017

JRC Rare Diseases Registries Training Workshop - Baveno, Italy, 8-9 February 2018

Second JRC Training Workshop on the European RD Registry Infrastructure (ERDRI) tools – Milano (Italy), 8-9 March 2018

The 9th European Conference on Rare Diseases & Orphan Products – ECRD 2018 - Vienna, Austria, 10-12 May 2018

American Society of Human Genetics (ASHG) 2018 Annual Meeting, San Diego, California (USA), October 16-20, 2018.

The European Human Genetics Conference (ESHG) 2019, Gothenburg, Sweden, June 15-18, 2019.

The PCDH19 World Conference, Rome, Italy, November 22-23, 2019.

The European Human Genetics Virtual Conference 2020, June 6-9, 2020.

The American Society of Human Genetics (ASHG) Virtual Conference 2020, October 27-30, 2020.

The European Human Genetics Conference 2022, Hybrid Conference, Vienna, Austria, June 11–14, 2022.

FORMAZIONE EXTRA-SCOLASTICA

Corso “*Espressione Genica e Genetica dei Tumori*”, Fondazione IRCCS Istituto Nazionale Tumori, Milano, Italy, Gennaio-Febbraio 2007

Corso “*Basi Statistiche Cliniche ed Applicazioni all'Analisi Microarray*”, Fondazione IRCCS Istituto Nazionale Tumori, Milano, Italy, 12-19 Marzo 2007

Corso “*Le tecniche microscopiche ed il loro contributo allo studio della cellula*” e “*Citofluorimetria a Flusso*”, Fondazione IRCCS Istituto Nazionale Tumori, Milano, Italy, Aprile-Maggio 2007

Corso “*Microambiente tumorale: ruolo nella progressione neoplastica*”, Centro Congressi MultiMedica - Polo Scientifico e Tecnologico, via Fantoli 15/16, 20100 Milano, 15 Gennaio 2009

Corso “*CHEMORESISTANCE - a major treatment failure in oncology*”, Fondazione IRCCS Istituto Nazionale Tumori, Milano, Italy, 21 Gennaio 2009

Corso “*Sistemi per la gestione ed archiviazione di dati biologici*”, Istituto di Statistica Medica e Biometria - Fondazione IRCCS Istituto Nazionale Tumori, Milano, 29 Gennaio - 12 Marzo 2009

4° CORSO A.I.F.E.G.-SIGU: Predisposizione Allo Sviluppo Di Tumori Gastrointestinali: Il Ruolo Dei Geni A Bassa Penetranza, Villa San Fermo, Lonigo (Vicenza), 12-13 Maggio 2009

Corso “*Nozioni di Statistica*” e Corso di “*Excel Advanced*”, Fondazione IRCCS Istituto Nazionale Tumori, Milano, giugno-ottobre 2009

8^a Giornata di Studio sulle Cellule Staminali: Riprogrammazione & Epigenetica, Dip. Scienze Farmacologiche, Università degli Studi di Milano, Milano, 29 Gennaio 2010

Corso Intensivo di *Meta-analisi e Revisioni Sistematiche*, Università Cattolica del Sacro Cuore, Facoltà Di Medicina e Chirurgia “Agostino Gemelli”, Roma, 3-5 Maggio 2010

Corso "Revisioni sistematiche ed Evidence Based Medicine", Università degli Studi di Milano, Facoltà di Medicina e Chirurgia, Sezione di Statistica Medica e Biometria "Giulio A. Maccacaro", Milano, 21-23 Settembre 2010

Corso "Workshop Computer Grafica", Fondazione IRCCS Istituto Nazionale Tumori, Milano, 20 Dicembre 2010

EBW - Effective Bio-Medical Reading & Writing™ (prof. Dr. V. Matarese), Fondazione IRCCS Istituto Nazionale Tumori, Milano, 3 Marzo – 27 Maggio 2011

IARC Summer School 2011 in "Cancer Epidemiology"– International Agency for Research on Cancer - World Health Organization, Lyon (France), 27 June - 8 July 2011.

One-week stage for usage of Dynamic Array™ integrated fluidic circuits (IFCs) technology by Fluidigm, for genotyping solution with SNPtype custom Assays, Policlinico S.Orsola – Malpighi, Bologna (Italy), 25-29 June 2012.

Corso "L'efficienza organizzativa tra strategia ed operatività: il Lean Thinking in Sanità", Siena, Italy, 22 November 2013.

Corso di aggiornamento "Agilent CytoGenomics 2.7" (Agilent Biotechnology), Azienda Ospedaliera Universitaria Senese, Siena, Italy, 18 March 2014.

Life Technologies Ion Proton System operational training course (Life Technologies), Azienda Ospedaliera Universitaria Senese, Siena, Italy, 9 June 2014.

Corso FAD "Eterogeneità genetica nei tumori ereditari: quali test proporre nella pratica clinica", Azienda Ospedaliera Universitaria Senese, Siena, Italy, 17 July 2015.

Corso di aggiornamento "Agilent CytoGenomics 3.0" (Agilent Biotechnology), Azienda Ospedaliera Universitaria Senese, Siena, Italy, 5 November 2015.

Workshop "La rivoluzione genomica: dai big data alla medicina personalizzata", 27 ottobre 2016, Firenze, Italy

Corso "Progettazione Horizon 2020: pensare una proposta di successo", Firenze (Italy), 28 November 2016.

ATTIVITÀ DI REVISORE

Revisore delle seguenti riviste scientifiche internazionali peer-review:

- International Journal of Cancer and Treatment
- Journal of Cellular Physiology
- Journal of Pediatric Epilepsy
- Journal of Pediatric Genetics
- International Journal of Biological Markers
- Journal of Neurology & Neuromedicine
- Open Access Journal of Pulmonary & Respiratory Sciences
- OncoTargets and Therapy
- International Journal of Cancer
- PLOS ONE

PARTECIPAZIONE SCIENTIFICA A PROGETTI DI RICERCA

Partecipazione scientifica a progetti di ricerca internazionali e nazionali, ammessi al finanziamento sulla base di bandi competitivi che prevedano la revisione tra pari:

TITOLO PROGETTO E PI	"Genome-wide identification of functional polymorphisms modulating individual risk of lung cancer", PI: Tommaso A Dragani (Fondazione IRCCS Istituto Nazionale dei Tumori)
ENTE FINANZIATORE	Associazione Italiana per la Ricerca Sul Cancro (AIRC)
RUOLO	Scrittura progetto ed esperimenti
DURATA IN MESI (da – a)	36 (2008-2010)

TITOLO PROGETTO E PI	"Identification of expression networks as effectors of genetic susceptibility to lung cancer in mice", PI: Giacomo Manenti (Fondazione IRCCS Istituto Nazionale dei Tumori)
ENTE FINANZIATORE	Associazione Italiana per la Ricerca Sul Cancro (AIRC)
RUOLO	Scrittura progetto
DURATA IN MESI (da – a)	36 (2010-2012)
TITOLO PROGETTO E PI	"SMART: Messa a punto di una strategia innovative di medicina personalizzata per la diagnosi e la terapia delle malattie renali nei bambini", PI: Alessandra Renieri (Università di Siena)
ENTE FINANZIATORE	Regione Toscana – Progetto FAS Salute 2014
RUOLO	Scrittura progetto ed esperimenti
DURATA IN MESI (da – a)	24 (2016-2018)
TITOLO PROGETTO E PI	"Identification of genetic bases of individual predisposition to lung cancer in non-smokers", PI: Alessandra Renieri (Università di Siena)
ENTE FINANZIATORE	Istituto Toscano Tumori
RUOLO	Disegno, scrittura progetto e supervisione
DURATA IN MESI (da – a)	36 (2015-2017)
TITOLO PROGETTO E PI	"FoxG1 gene therapy using CRISPR/Cas9 technology and AAV9 iPSCs-derived neurons", PI: Alessandra Renieri (Università di Siena)
ENTE FINANZIATORE	Blackswan Foundation
RUOLO	Scrittura progetto
DURATA IN MESI (da – a)	24 (2017-2019)

FINANZIAMENTO DI PROGETTI DI RICERCA

TITOLO PROGETTO E PI	"A multidisciplinary approach to study protocadherin 19: from neuronal function to the "cellular interference" pathogenic mechanism", PI: Elisa Frullanti
ENTE FINANZIATORE	PRIN (Research Projects of National Relevance) - Italian Ministry of Education, Universities and Research (MIUR)
RUOLO	Responsabile di Unità di Ricerca
DURATA IN MESI (da – a)	2019-2022
BUDGET UNITÀ	168.000 Euro

PUBBLICAZIONI

CAPITOLI DI LIBRO	<ol style="list-style-type: none"> Frullanti E and Renieri A. "Riorganizzazione dell'attività di Genetica Medica relativa ai test genetici per malattie rare in ottica LEAN" in Lean Thinking in Sanità di Bianciardi C, Bracci L, Burrioni L, Guercini J, Società Editrice Esculapio, Bologna, Italy, 2014. Palmieri M, Renieri A and Frullanti E. "Noninvasive Genetic Testing: Adhesive Patch-Based Skin Biopsy and Buccal Swab" in Technology in Practical Dermatology, Springer Nature Switzerland Ago 2020. ISBN 978-3-030-45350-3 ISBN 978-3-030-45351-0 (eBook). https://doi.org/10.1007/978-3-030-45351-0 Palmieri M, Renieri A and Frullanti E. "Liquid Biopsies" in Technology in Practical Dermatology, Springer Nature Switzerland Ago 2020. ISBN 978-3-030-45350-3 ISBN 978-3-030-45351-0 (eBook). https://doi.org/10.1007/978-3-030-45351-0 Palmieri M and Frullanti E. "Liquid Biopsy: a new strategy for future directions in lung cancer treatment" in "Lung Cancer - Novel Treatment Strategies" Book. London: IntechOpen.
-------------------	---

ARTICOLI SCIENTIFICI

1. Galvan A, Falvella FS, Spinola M, **Frullanti E**, Leoni V, Noci S, Zolin A, Spada E, Milani S, Pastorino U, Incarbone M, Santambrogio L, Gonzalez Neira A, Dragani TA. *Polygenic model with common variants may predict lung adenocarcinoma risk in humans*. Int J Cancer. 2008 Nov 15;123(10):2327-30
IF (2008): 4.734
2. Falvella FS, **Frullanti E**, Galvan A, Spinola M, Noci S, De Cecco L, Nosotti M, Santambrogio L, Incarbone M, Alloisio M, Calabrò E, Pastorino U, Skaug V, Haugen A, Taioli E, Dragani TA. *FGFR4 Gly388Arg polymorphism may affect the clinical stage of patients with lung cancer by modulating the transcriptional profile of normal lung*. Int J Cancer. 2009 Feb 3;124(12):2880-2885.
IF (2009): 4.722
3. Falvella FS, Galvan A, **Frullanti E**, Spinola M, Calabrò E, Carbone A, Incarbone M, Santambrogio L, Pastorino U, Dragani TA. *Transcription deregulation at the 15q25 locus in association with lung adenocarcinoma risk*. Clin Cancer Res. 2009 Mar 1;15(5):1837-42.
IF (2009): 6.747
4. Falvella FS, Galvan A, **Frullanti E**, Dragani TA. *Reply to the Letter to the Editor from Wang: Variants weakly correlated with CHRNA5 D398N polymorphism should be considered in transcriptional deregulation at the 15q25 locus associated with lung cancer risk*. Clin Cancer Res. 2009 Mar 1;15(5):1837-42.
IF (2009): 6.747
5. Galvan A, Falvella FS, **Frullanti E**, Spinola M, Pastorino U, Neira AG, Dragani TA. *Genome-wide association study in discordant sibships identifies multiple inherited susceptibility alleles linked to lung cancer*. Carcinogenesis. 2010 Mar;31(3):462-5.
IF (2010): 5.402
6. Falvella FS, Galvan A, Colombo F, **Frullanti E**, Pastorino U, Dragani TA. *Promoter Polymorphisms and Transcript Levels of Nicotinic Receptor CHRNA5*. J Natl Cancer Inst. 2010 Sep 8;102(17):1366-70.
IF (2010): 14.697
7. **Frullanti E**, Berking C, Harbeck N, Jézéquel P, Haugen A, Mawrin C, Parise O Jr, Sasaki H, Tsuchiya N, Dragani TA. *Meta and pooled analyses of FGFR4 Gly388Arg polymorphism as a cancer prognostic factor*. Eur J Cancer Prev. 2011 Jul; 20(4):340-7.
IF (2011): 2.130
8. **Frullanti E**, Galvan A, Falvella FS, Manenti G, Colombo F, Vannelli A, Incarbone M, Alloisio M, Nosotti M, Santambrogio L, Gonzalez-Neira A, Pastorino U, Dragani TA. *Multiple genetic loci modulate lung adenocarcinoma clinical staging*. Clin Cancer Res. 2011 Apr 15;17(8):2410-6.
IF (2011): 7.742
9. Colombo F, Falvella FS, Galvan A, **Frullanti E**, Kunitoh H, Ushijima T, Dragani TA. *A 5'-region polymorphism modulates promoter activity of the tumor suppressor gene MFSD2A*. Mol Cancer. 2011 Jul 7;10(1):81.
IF (2011): 3.993
10. **Frullanti E**, Colombo F, Falvella FS, Galvan A, De Cecco L, Noci S, Incarbone M, Alloisio M, Tosi D, Nosotti M, Santambrogio, Pastorino U, Dragani TA. *Association of lung adenocarcinoma clinical stage with gene expression pattern in non-involved lung tissue*. Int J Cancer. 2012 Sep 1;131(5):E643-8.
IF (2011): 5.444
11. **Frullanti E**, La Vecchia C, Dragani TA, Boffetta P, Zocchetti C. *Vinyl chloride exposure and cirrhosis: a meta-analysis*. Dig Liver Dis. 2012 Sep;44(9):775-9.
IF (2011): 3.054
12. **Frullanti E**, La Vecchia C, Dragani TA, Boffetta P, Zocchetti C. *Authors' reply: Comment to "Vinyl chloride exposure and cirrhosis: a systematic review and meta-analysis"*. Dig Liver Dis. 2013 Aug;45(8):702
IF (2012): 3.054

13. Galvan A, **Frullanti E** [contributed equally to the work], Anderlini M, Manenti G, Noci S, Dugo M, Ambrogi F, De Cecco L, Spinelli R, Piazza R, Pirola A, Gambacorti-Passerini C, Incarbone M, Alloisio M, Santambrogio L, Nosotti M, Tosi T, Pastorino U, Dragani TA. *Gene expression signature of normal lung tissue associated with survival in lung adenocarcinoma patients*. *Carcinogenesis*. 2013 Dec;34(12):2767-73.
IF (2012):5.702
14. Mirella Filocamo, Chiara Baldo, Stefano Goldwurm, Alessandra Renieri, Corrado Angelini, Maurizio Moggio, Marina Mora, Giuseppe Merla, Luisa Politano, Barbara Garavaglia, Lorena Casareto, Franca Dagna Bricarelli, Fabio Corsoloni, Sara Galotto, Raffaella Mazzotti, Giorgia Stroppiana, Mauro Castagnetta, Massimo Moggi, Valeria Viotti, Alba Bonetti, Franca Felici, Francesca Natuzzi, Sonia Amabile, **Elisa Frullanti**, Ilaria Meloni, Marina Fanin, Annachiara Nascimbeni, Elena Pegoraro, Enrico Peterle, Laura Napoli, Michela Ripolone, Monica Sciacco, Raffaella Violano, Eleonora Canioni, Sara Gibertini, Simona Saredi, Simona Zanotti, Carmela Fusco, Lucia Micale, Maria Teresa Pellico, Leopoldo Zelante, Paola D'Ambrosio, Esther Picillo, Antonella Taglia, Chiara Barzaghi, Celeste Panteghini¹⁰, Lorella Valletta for Telethon Network of Genetic Biobanks Staff. *Telethon Network of Genetic Biobanks: a Key Service for Diagnosis and Research on Rare Diseases*. *Orphanet J Rare Dis*. 2013 Aug 30;8(1):129.
IF (2012): 5.074
15. Disciglio V, Lo Rizzo C, Mencarelli MA, Mucciolo M, Marozza A, Di Marco C, Massarelli A, Canocchi V, Baldassari M, Ndoni E, **Frullanti E**, Amabile S, Anderlid BM, Metcalfe K, Le Caignec C, David A, Fryer A, Boute O, Joris A, Greco D, Pecile V, Battini R, Novelli A, Fichera M, Romano C, Mari F, Renieri A. *Interstitial 22q13 Deletions not involving SHANK3 gene: A new contiguous gene syndrome*. *Am J Med Genet A*. 2014 Jul;164A(7):1666-76.
IF (2012): 2.391
16. Dassano A, Colombo F, Trincucci G, **Frullanti E**, Galvan A, Pettinicchio A, De Cecco L, Borrego A, Martinez Ibanez O, Dragani TA, Manenti G. *Mouse Pulmonary Adenoma Susceptibility 1 Locus is an Expression QTL Modulating Kras-4A*. *PLoS Genet*. 2014 Apr 17;10(4):e1004307.
IF (2012): 8.517
17. Renieri A, Mencarelli MA, Cetta F, Baldassarri M, Mari F, Furini S, Piu P, Ariani F, Dragani TA, **Frullanti E**. *Oligogenic germline mutations identified in early non-smokers lung adenocarcinoma patients*. *Lung Cancer*. 2014 Aug;85(2):168-74.
IF (2012): 3.434
18. Galvan A, Colombo F, **Frullanti E**, Dassano A, Noci S, Wang Y, Eisen T, Matakidou A, Tomasello L, Vezzalini M, Sorio C, Dugo M, Ambrogi F, Iacobucci I, Martinelli G, Incarbone M, Alloisio M, Nosotti M, Tosi D, Santambrogio L, Pelosi G, Pastorino U, Houlston RS, Dragani TA. *Germline polymorphisms and survival of lung adenocarcinoma patients: a genome-wide study in two European patient series*. *Int J Cancer*. 2015 Mar;136(5):E262-71.
IF (2012): 6.198
19. **Frullanti E**, Amabile S, Lolli MG, Bartolini A, Livide G, Landucci E, Mari F, Vaccarino FM, Ariani F, Massimino L, Renieri A, Meloni I. *Altered expression of neuropeptides in FoxG1-null heterozygous mutant mice*. *Eur J Hum Genet*. 2016 Feb;24(2):252-7.
IF (2012): 4.4
20. Patriarchi T, Amabile S, **Frullanti E**, Landucci E, Lo Rizzo C, Ariani F, Costa M, Olimpico F, W Hell J, M Vaccarino F, Renieri A, Meloni I. *Imbalance of excitatory/inhibitory synaptic protein expression in iPSCderived neurons from FOXG1+/- patients and in foxg1+/- mice*. *Eur J Hum Genet*. 2016 Jun;24(6):871-80.
IF (2012): 4.4
21. Imperatore V, Mencarelli MA, Fallerini C, Bianciardi L, Ariani F, Furini S, Renieri A, Mari F, **Frullanti E**. *Potentially Treatable Disorder Diagnosed Post Mortem by Exome Analysis in a Boy with Respiratory Distress*. *Int J Mol Sci*. 2016 Feb 27;17(3):306.
IF (2012): 2.464

22. Bianciardi L, Imperatore V, Fernandez-Vizarra E, Lopomo A, Falabella M, Furini S, Galluzzi P, Grosso S, Zeviani M, Renieri A, Mari F, **Frullanti E**. *Exome sequencing coupled with mRNA analysis identifies NDUFAF6 as a Leigh gene*. Mol Genet Metab. 2016;119(3):214-22.
IF (2014): 2.625
23. Mucciolo M, Di Marco C, Canitano R, Buoni S, **Frullanti E**, Mencarelli MA, Bizzarri V, Amabile S, Radice L, Baldassarri M, Lo Rizzo C, Meloni I, Hayek J, Renieri A, Mari F. *A Genome Wide Copy Number Variations Analysis in Autism Spectrum Disorder (Asd) and Intellectual Disability (Id) in Italian Families*. J Genet Syndr Gene Ther. 2016, 7:5.
IF (2014): 2.05
24. Fallerini C, Baldassarri M, Trevisson E, Morbidoni V, La Manna A, Lazzarin R, Pasini A, Barbano G, Pinciaroli AR, Garosi G, **Frullanti E**, Pinto AM, Mencarelli MA, Mari F, Renieri A, Ariani F. *Alport syndrome: impact of digenic inheritance in patients management*. Clin Genet. 2017 Jul;92(1):34-44.
IF (2014): 3.931
25. Baldassarri M, Fallerini C, Cetta F, Ghisalberti M, Bellan C, Furini S, Spiga O, Crispino S, Gotti G, Ariani F, Paladini P, Renieri A, **Frullanti E**. *"Omic" Approach in Non-Smoker Female with Lung Squamous Cell Carcinoma Pinpoints to Germline Susceptibility and Personalized Medicine*. Cancer Res Treat. 2018 Apr;50(2):356-365.
IF (2016): 3.772
26. Cetta F, Renieri A, **Frullanti E**. *Germline mutations in lung cancer and personalized medicine*. Fam Cancer. 2018 Jul;17(3):429-430.
IF (2016): 1.66
27. Daga S, Baldassarri M, Lo Rizzo C, Fallerini C, Imperatore V, Longo I, **Frullanti E**, Landucci E, Massella L, Pecoraro C, Garosi G, Ariani F, Mencarelli MA, Mari F, Renieri A, Pinto AM. *Urine-derived podocytes-lineage cells: A promising tool for precision medicine in Alport Syndrome*. Hum Mutat. 2018 Feb;39(2):302-314.
IF (2016): 4.601
28. Papa FT, Mancardi MM, **Frullanti E**, Fallerini C, Della Chiara V, Zalba-Jadraque L, Baldassarri M, Gamucci A, Mari F, Veneselli E, Renieri A. *Personalized therapy in a GRIN1 mutated girl with intellectual disability and epilepsy*. Clin Dysmorphol. 2018 Jan;27(1):18-20.
IF (2016): 0.573
29. Pinto AM, Papa FT, **Frullanti E**, Meloni I, Tita R, Caselli R, Fallerini C, Lopergolo D, Cetta F, Mencarelli MA, Bocchia M, Gozzetti A, Renieri A. *Low-level TP53 mutational load antecedes clonal expansion in chronic lymphocytic leukaemia* Br J Haematol. 2019;184(4):657-659.
IF (2016): 5.67
30. Imperatore V, Pinto AM, Gelli E, Trevisson E, Morbidoni V, **Frullanti E**, Hadjistilianou T, De Francesco S, Toti P, Gusson E, Roversi G, Accogli A, Capra V, Mencarelli MA, Renieri A, Ariani F. *Parent-of-origin effect of hypomorphic pathogenic variants and somatic mosaicism impact on phenotypic expression of retinoblastoma*. Eur J Hum Genet. 2018;26(7):1026-37.
IF (2016): 4.287
31. Landucci E, Brindisi M, Bianciardi L, Catania LM, Daga S, Croci S, **Frullanti E**, Fallerini C, Butini S, Brogi S, Furini S, Melani R, Molinaro A, Lorenzetti FC, Imperatore V, Amabile S, Mariani J, Mari F, Ariani F, Pizzorusso T, Pinto AM, Vaccarino FM, Renieri A, Campiani G, Meloni I. *iPSC-derived neurons profiling reveals GABAergic circuit disruption and acetylated α -tubulin defect which improves after iHDAC6 treatment in Rett syndrome*. Exp Cell Res. 2018 Jul 15;368(2):225-235.
IF (2016): 3.546
32. Cetta F, Palmieri M, Renieri A, **Frullanti E**. *Commentary: Potential Links between Hepadnavirus and Bornavirus Sequences in the Host Genome and Cancer*. Front Microbiol. 2018 Jul 23;9(JUL),649; doi.org/10.3389/fmicb.2018.01649.
IF (2016): 4.076

33. Giliberti A, Currò A, Papa FT, **Frullanti E**, Ariani F, Coriolani G, Grosso S, Renieri A, Mari F. MEIS2 gene is responsible for intellectual disability, cardiac defects and a distinct facial phenotype. *Eur J Med Genet.* 2019 Feb 5. pii: S1769-7212(18)30600-1. IF (JCR 2016): 2.137
34. Gelli E, Colombo M, Pinto AM, De Vecchi G, Foglia C, Amitrano S, Morbidoni V, Imperatore V, Manoukian S, Baldassarri M, Lo Rizzo C, Catania L, **Frullanti E**, Tagliafico E, Cortesi L, Spaggiari F, Mencarelli MA, Trevisson E, Radice P, Renieri A, Ariani F. Usefulness and Limitations of Comprehensive Characterization of mRNA Splicing Profiles in the Definition of the Clinical Relevance of BRCA1/2 Variants of Uncertain Significance. *Cancers (Basel).* 2019 Mar 1;11(3). pii: E295. IF (JCR 2016): 5.326
35. **Frullanti E**, Papa FT, Grillo E, Clarke A, Ben-Zeev B, Pineda M, Bahi-Buisson N, Bienvenu T, Armstrong J, Roche Martinez A, Mari F, Nissenkorn A, Lo Rizzo C, Veneselli E, Russo S, Vignoli A, Pini G, Djuric M, Bisgaard AM, Ravn K, Bosnjak VM, Hayek J, Khajuria R, Montomoli B, Cogliati F, Pintaudi M, Hadzsiev K, Craiu D, Voinova V, Djukic A, Villard L, Renieri A. Analysis of the Phenotypes in the Rett Networked Database. *Int J Genomics.* 2019 Mar 27;2019:6956934. doi: 10.1155/2019/6956934. IF (JCR 2016): 2.402
36. Palmieri M, Baldassarri M, Fava F, Fabbiani A, Campenni GM, Mencarelli MA, Tita R, Marsili S, Renieri A, **Frullanti E**. PIK3CA-CDKN2A clonal evolution in metastatic breast cancer and multiple points cell-free DNA analysis. *Cancer Cell Int.* 2019 Oct 28;19:274. doi: 10.1186/s12935-019-0991-y. IF (JCR 2016): 2.740
37. Daga S, Donati F, Capitani K, Croci S, Tita R, Giliberti A, Valentino F, Benetti E, Fallerini C, Niccheri F, Baldassarri M, Mencarelli MA, **Frullanti E**, Furini S, Conticello SG, Renieri A, Pinto AM. New frontiers to cure Alport syndrome: COL4A3 and COL4A5 gene editing in podocyte-lineage cells. *Eur J Hum Genet.* 2020 Apr;28(4):480-490. IF (JCR 2016): 4.287
38. Pinto AM, Daga S, Fallerini C, Bruttini M, Baldassarri M, Giliberti A, **Frullanti E**, Guarnieri A, Garosi G, Renieri A. Detection of Cryptic Mosaicism in X-linked Alport Syndrome Prompts to Reevaluate Living-donor Kidney Transplantation. *Transplantation.* 2019 Dec 31. doi: 10.1097/TP.0000000000003104. IF (JCR 2018): 3.960
39. Palmieri M, Baldassarri M, Fava F, Fabbiani A, Gelli E, Tita R, Torre P, Petrioli R, Hadjistilianou T, Galimberti D, Cinotti E, Bengala C, Mandalà M, Piu P, Miano ST, Martellucci I, Vannini A, Pinto AM, Mencarelli MA, Marsili S, Renieri A, **Frullanti E**. Two-point-NGS analysis of cancer genes in cell-free DNA of metastatic cancer patients. *Cancer Med.* 2020 Mar;9(6):2052-2061.. doi: 10.1002/cam4.2782. IF (JCR 2018): 3.202
40. Croci S, Carriero ML, Capitani K, Daga S, Donati F, **Frullanti E**, Lamacchia V, Tita R, Giliberti A, Valentino F, Benetti E, Ciabattini A, Furini S, Lo Rizzo C, Pinto AM, Conticello SG, Renieri A, Meloni I. High rate of HDR in gene editing of p.(Thr158Met) MECP2 mutational hotspot. *Eur J Hum Genet.* 2020 Sep;28(9):1231-1242. IF (JCR 2018): 4.287
41. Croci S, Carriero ML, Capitani K, Daga S, Donati F, Papa FT, **Frullanti E**, Lopercolo D, Lamacchia V, Tita R, Giliberti A, Benetti E, Niccheri F, Furini S, Lo Rizzo C, Conticello SG, Renieri A, Meloni I. AAV-mediated FOXP1 gene editing in human Rett primary cells. *Eur J Hum Genet.* 2020 Oct;28(10):1446-1458. IF (JCR 2018): 4.287
42. Palmieri M, Pinto AM, di Blasio L, Currò A, Monica V, Sarno LD, Doddato G, Baldassarri M, **Frullanti E**, Giliberti A, Mussolin B, Fallerini C, Molinaro F, Vaghi M, Renieri A, Primo L. A pilot study of next generation sequencing-liquid biopsy on cell-free DNA as a novel non-invasive diagnostic tool for Klippel-Trenaunay syndrome. *Vascular.* 2021 Feb;29(1):85-91. IF (JCR 2018): 1.315

43. Benetti E, Tita R, Spiga O, Ciolfi A, Birolo G, Bruselles A, Doddato G, Giliberti A, Marconi C, Musacchia F, Pippucci T, Torella A, Trezza A, Valentino F, Baldassarri M, Brusco A, Asselta R, Bruttini M, Furini S, Seri M, Nigro V, Matullo G, Tartaglia M, Mari F; **GEN-COVID Multicenter Study**, Renieri A, Pinto AM. ACE2 gene variants may underlie interindividual variability and susceptibility to COVID-19 in the Italian population. *Eur J Hum Genet*. 2020 Nov;28(11):1602-1614. IF (JCR 2018): 4.287
44. Palmieri M, Di Sarno L, Tommasi A, Currò A, Doddato G, Baldassarri M, **Frullanti E**, Giliberti A, Fallerini C, Arzini A, Pinto A, Vaghi M, Renieri A. MET somatic activating mutations are responsible for lymphovenous malformation and can be identified using cell-free DNA next generation sequencing liquid biopsy. *J Vasc Surg Venous Lymphat Disord*. 2020 Aug 26:S2213-333X(20)30461-3. IF (JCR 2018): NA
45. Chernov AN, Alaverdian DA, Glotov OS, Talabaev MV, Urazov SP, Shcherbak SG, Renieri A, **Frullanti E**, Shamova O. Related expression of TRKA and P75 receptors and the changing copy number of MYC-oncogenes determine the sensitivity of brain tumor cells to the treatment of the nerve growth factor in combination with cisplatin and temozolomide. *Drug Metab Pers Ther*. 2020 Sep 4;35(4). doi: 10.1515/dmdi-2020-0109. IF (JCR 2018): 0.91
46. Benetti E, Giliberti A, Emiliozzi A, Valentino F, Bergantini L, Fallerini C, Anedda F, Amitrano S, Conticini E, Tita R, d'Alessandro M, Fava F, Marcantonio S, Baldassarri M, Bruttini M, Mazzei MA, Montagnani F, Mandalà M, Bargagli E, Furini S; **GEN-COVID Multicenter Study**, Renieri A, Mari F. Clinical and molecular characterization of COVID-19 hospitalized patients. *PLoS One*. 2020 Nov 18;15(11):e0242534. doi: 10.1371/journal.pone.0242534. PMID: 33206719; PMCID: PMC7673557. IF (JCR 2018): 2.776
47. Pairo-Castineira E, Clohisey S, Klaric L, Bretherick AD, Rawlik K, Pasko D, Walker S, Parkinson N, Fourman MH, Russell CD, Furniss J, Richmond A, Gountouna E, Wrobel N, Harrison D, Wang B, Wu Y, Meynert A, Griffiths F, Oosthuyzen W, Kousathanas A, Moutsianas L, Yang Z, Zhai R, Zheng C, Grimes G, Beale R, Millar J, Shih B, Keating S, Zechner M, Haley C, Porteous DJ, Hayward C, Yang J, Knight J, Summers C, Shankar-Hari M, Klenerman P, Turtle L, Ho A, Moore SC, Hinds C, Horby P, Nichol A, Maslove D, Ling L, McAuley D, Montgomery H, Walsh T, Pereira AC, Renieri A; GenOMICC Investigators; ISARIC4C Investigators; COVID-19 Human Genetics Initiative; 23andMe Investigators; BRACOVID Investigators; **Gen-COVID Investigators**, Shen X, Ponting CP, Fawkes A, Tenesa A, Caulfield M, Scott R, Rowan K, Murphy L, Openshaw PJM, Semple MG, Law A, Vitart V, Wilson JF, Baillie JK. Genetic mechanisms of critical illness in COVID-19. *Nature*. 2021 Mar;591(7848):92-98. IF (2019): 42.778
48. Daga S, Fallerini C, Baldassarri M, Fava F, Valentino F, Doddato G, Benetti E, Furini S, Giliberti A, Tita R, Amitrano S, Bruttini M, Meloni I, Pinto AM, Raimondi F, Stella A, Biscarini F, Picchiotti N, Gori M, Pinoli P, Ceri S, Sanarico M, Crawley FP, Birolo G; GEN-COVID Multicenter Study, Renieri A, Mari F, **Frullanti E**. Employing a systematic approach to biobanking and analyzing clinical and genetic data for advancing COVID-19 research. *Eur J Hum Genet*. 2021 May;29(5):745-759. IF (JCR 2019): 3.657
49. Baldassarri M, Picchiotti N, Fava F, Fallerini C, Benetti E, Daga S, Valentino F, Doddato G, Furini S, Giliberti A, Tita R, Amitrano S, Bruttini M, Croci S, Meloni I, Pinto AM, Iuso N, Gabbi C, Sciarra F, Venneri MA, Gori M, Sanarico M, Crawley FP, Pagotto U, Fanelli F, Mezzullo M, Dominguez-Garrido E, Planas-Serra L, Schlüter A, Colobran R, Soler-Palacin P, Lapunzina P, Tenorio J, Pujol A, Castagna MG, Marcelli M, Isidori AM, Renieri A, **Frullanti E [co-last]**, Mari F; Spanish Covid HGE, GEN-COVID Multicenter Study. Shorter androgen receptor polyQ alleles protect against life-threatening COVID-19 disease in European males. *EBioMedicine*. 2021 Feb 26;65:103246. IF (2019): 5.736
50. Fallerini C, Daga S, Mantovani S, Benetti E, Picchiotti N, Francisci D, Paciosi F, Schiaroli E, Baldassarri M, Fava F, Palmieri M, Ludovisi S, Castelli F, Quiros-Roldan E, Vaghi M, Rusconi S, Siano M, Bandini M, Spiga O, Capitani K, Furini S, Mari F; GEN-COVID Multicenter Study, Renieri A, Mondelli MU, **Frullanti E**. Association of Toll-like receptor 7 variants with life-threatening COVID-19 disease in males: findings from a nested case-control study. *Elife*. 2021 Mar 2;10:e67569. doi: 10.7554/eLife.67569. IF (2019): 7.080

51. Monticelli M, Hay Mele B, Benetti E, Fallerini C, Baldassarri M, Furini S, **Frullanti E**, Mari F, Andreotti G, Cubellis MV, Renieri A; Gen-Covid Multicenter Protective Role of a TMPRSS2 Variant on Severe COVID-19 Outcome in Young Males and Elderly Women. *Genes (Basel)*. 2021 Apr 19;12(4):596. IF (2019): 3.600
52. Baldassarri M, Fava F, Fallerini C, Daga S, Benetti E, Zguro K, Amitrano S, Valentino F, Doddato G, Giliberti A, Di Sarno L, Palmieri M, Carriero ML, Alaverdian D, Beligni G, Iuso N, Castelli F, Quiros-Roldan E, Mondelli MU, Miceli R, **Frullanti E**, Furini S, Mari F, Renieri A, Gabbi C, On Behalf Of The Gen-Covid Multicenter Study. Severe COVID-19 in Hospitalized Carriers of Single CFTR Pathogenic Variants. *J Pers Med*. 2021 Jun 15;11(6):558. IF (2019): 4.945
53. Zanella I, Zacchi E, Piva S, Filosto M, Beligni G, Alaverdian D, Amitrano S, Fava F, Baldassarri M, **Frullanti E**, Meloni I, Renieri A; GEN-COVID Multicenter Study; GEVACOBA Study Group, Castelli F, Quiros-Roldan E. C9orf72 Intermediate Repeats Confer Genetic Risk for Severe COVID-19 Pneumonia Independently of Age. *Int J Mol Sci*. 2021 Jun 29;22(13):6991. IF (2019): 5.923
54. Chernov AN, Alaverdian DA, Galimova ES, Renieri A, **Frullanti E**, Meloni I, Shamova OV. The phenomenon of multidrug resistance in glioblastomas. *Hematol Oncol Stem Cell Ther*. 2021 Jun 16:S1658-3876(21)00057-1. IF (2019): 1.66
55. COVID-19 Host Genetics Initiative. Mapping the human genetic architecture of COVID-19. *Nature*. 2021 Dec;600(7889):472-477. doi: 10.1038/s41586-021-03767-x. Epub 2021 Jul 8. IF (2019): 42.778
56. Fallerini C, Daga S, Benetti E, Picchiotti N, Zguro K, Catapano F, Baroni V, Lanini S, Bucalossi A, Marotta G, Colombo F, Baldassarri M, Fava F, Beligni G, Di Sarno L, Alaverdian D, Palmieri M, Croci S, Isidori AM, Furini S, **Frullanti E**; GEN-COVID Multicenter Study, Renieri A, Mari F. SELP Asp603Asn and severe thrombosis in COVID-19 males. *J Hematol Oncol*. 2021 Aug 16;14(1):123. IF (2019): 11.059
57. Nakanishi T, Pigazzini S, Degenhardt F, Cordioli M, Butler-Laporte G, Maya-Miles D, Bujanda L, Bouysran Y, Niemi ME, Palom A, Ellinghaus D, Khan A, Martínez-Bueno M, Rolker S, Amitrano S, Roade Tato L, Fava F; FinnGen; COVID-19 Host Genetics Initiative (HGI), Spinner CD, Prati D, Bernardo D, Garcia F, Darcis G, Fernández-Cadenas I, Holter JC, Banales JM, Frithiof R, Kiryluk K, Duga S, Asselta R, Pereira AC, Romero-Gómez M, Nafria-Jiménez B, Hov JR, Migeotte I, Renieri A, Planas AM, Ludwig KU, Buti M, Rahmouni S, Alarcón-Riquelme ME, Schulte EC, Franke A, Karlsen TH, Valenti L, Zeberg H, Richards JB, Ganna A. Age-dependent impact of the major common genetic risk factor for COVID-19 on severity and mortality. *J Clin Invest*. 2021 Dec 1;131(23):e152386. IF (2019): 14.808
58. Palmieri M, Currò A, Tommasi A, Di Sarno L, Doddato G, Baldassarri M, **Frullanti E**, Giliberti AR, Fallerini C, Spinazzola A, Pinto AM, Renieri A, Vaghi M. Cell-free DNA next-generation sequencing liquid biopsy as a new revolutionary approach for arteriovenous malformation. *JVS Vasc Sci*. 2020 Sep 2;1:176-180. IF (2019): 0
59. Chernov AN, Alaverdian DA, Glotov OS, Talabaev MV, Urazov SP, Shcherbak SG, Renieri A, **Frullanti E**, Shamova O. Related expression of TRKA and P75 receptors and the changing copy number of MYC-oncogenes determine the sensitivity of brain tumor cells to the treatment of the nerve growth factor in combination with cisplatin and temozolomide. *Drug Metab Pers Ther*. 2020;35(4). IF (2019): 0

60. Palmieri M, Baldassarri M, Iuso N, Fava F, Fabbiani A, Cetta F, Fallerini C, Tita R, Mencarelli MA, Renieri A, **Frullanti E**. Private somatic mutations identified with liquid biopsy lead tumor progression in solid cancers *J Cancer Metastasis Treat* 2020;6:55. doi: 10.20517/2394-4722.2020.105
IF (2019): 0
61. Picchiotti N, Benetti E, Fallerini C, Daga S, Baldassarri M, Fava F, Zguro K, Valentino F, Doddato G, Giliberti A, Tita R, Amitrano S, Bruttini M, Di Sarno L, Alaverdian D, Beligni D, Palmieri M, Croci S, Lista M, Meloni I, Pinto AM, Gabbi C, Ceri S, Esposito A, Pinoli P, Crawley FP, Frullanti E, Mari F, GEN-COVID Multicenter Study, Gori M, Renieri A, Furini S. Post-mendelian genetic model in COVID-19. *Cardiol Cardiovasc Med* 2021; 5 (6): 673-694
IF (2019): 3.5
62. Fallerini C, Picchiotti N, Baldassarri M, Zguro K, Daga S, Fava F, Benetti E, Amitrano S, Bruttini M, Palmieri M, Croci S, Lista M, Beligni G, Valentino F, Meloni I, Tanfoni M, Minnai F, Colombo F, Cabri E, Fratelli M, Gabbi C, Mantovani S, **Frullanti E**, Gori M, Crawley FP, Butler-Laporte G, Richards B, Zeberg H, Lipcsey M, Hultström M, Ludwig KU, Schulte EC, Pairo-Castineira E, Baillie JK, Schmidt A, Frithiof R; WES/WGS Working Group Within the HGI; GenOMICC Consortium; GEN-COVID Multicenter Study, Mari F, Renieri A, Furini S. Common, low-frequency, rare, and ultra-rare coding variants contribute to COVID-19 severity. *Hum Genet.* 2022 Jan;141(1):147-173.
IF (2019): 4.132
63. Mantovani S, Daga S, Fallerini C, Baldassarri M, Benetti E, Picchiotti N, Fava F, Galli A, Zibellini S, Bruttini M, Palmieri M, Croci S, Amitrano S, Alaverdian D, Capitani K, Furini S, Mari F, Meloni I; GEN-COVID Multicenter Study, **Frullanti E**, Mondelli MU, Renieri A. Rare variants in Toll-like receptor 7 results in functional impairment and downregulation of cytokine-mediated signaling in COVID-19 patients. *Genes Immun.* 2021 Dec 24:1-6.
IF (2019): 2,676
64. Croci S, Venneri MA, Mantovani S, Fallerini C, Benetti E, Picchiotti N, Campolo F, Imperatore F, Palmieri M, Daga S, Gabbi C, Montagnani F, Beligni G, Farias TDJ, Carriero ML, Di Sarno L, Alaverdian D, Aslaksen S, Cubellis MV, Spiga O, Baldassarri M, Fava F, Norman PJ, **Frullanti E**, Isidori AM, Amoroso A, Mari F, Furini S, Mondelli MU, **Gen-Covid Multicenter Study**, Chiariello M, Renieri A, Meloni I. The polymorphism L412F in TLR3 inhibits autophagy and is a marker of severe COVID-19 in males. *Autophagy.* 2021 Dec 29:1-11.
IF (2019): 16,016
65. Kousathanas A, Pairo-Castineira E, Rawlik K, Stuckey A, Odhams CA, Walker S, Russell CD, Malinauskas T, Wu Y, Millar J, Shen X, Elliott KS, Griffiths F, Oosthuyzen W, Morrice K, Keating S, Wang B, Rhodes D, Klaric L, Zechner M, Parkinson N, Siddiq A, Goddard P, Donovan S, Maslove D, Nichol A, Semple MG, Zainy T, Maleady-Crowe F, Todd L, Salehi S, Knight J, Elgar G, Chan G, Arumugam P, Patch C, Rendon A, Bentley D, Kingsley C, Kosmicki JA, Horowitz JE, Baras A, Abecasis GR, Ferreira MAR, Justice A, Mirshahi T, Oetjens M, Rader DJ, Ritchie MD, Verma A, Fowler TA, Shankar-Hari M, Summers C, Hinds C, Horby P, Ling L, McAuley D, Montgomery H, Openshaw PJM, Elliott P, Walsh T, Tenesa A; **GenOMICC investigators**; 23andMe investigators; COVID-19 Human Genetics Initiative, Fawkes A, Murphy L, Rowan K, Ponting CP, Vitart V, Wilson JF, Yang J, Bretherick AD, Scott RH, Hendry SC, Moutsianas L, Law A, Caulfield MJ, Baillie JK. Whole-genome sequencing reveals host factors underlying critical COVID-19. *Nature.* 2022 Jul;607(7917):97-103.
IF (2020): 49.962

66. Zhang S, Cooper-Knock J, Weimer AK, Shi M, Kozhaya L, Unutmaz D, Harvey C, Julian TH, Furini S, **Frullanti E**, Fava F, Renieri A, Gao P, Shen X, Timpanaro IS, Kenna KP, Baillie JK, Davis MM, Tsao PS, Snyder MP. Multiomic analysis reveals cell-type-specific molecular determinants of COVID-19 severity. *Cell Syst.* 2022 Jun 3:S2405-4712(22)00228-9.
IF (2020): 10,304
67. COVID-19 Host Genetics Initiative. A first update on mapping the human genetic architecture of COVID-19. *Nature.* 2022 Aug 3. doi: 10.1038/s41586-022-04826-7.
IF (2020): 49.962

**PERSONAL
STATEMENT**

La sottoscritta, Frullanti Elisa, ha iniziato la sua attività scientifica a tempo pieno in giovane età, parallelamente agli studi, presso l'U.O. di Epidemiologia Genetica e Molecolare (Dr.ssa Taioli Emanuela) dell'Ospedale Maggiore - Policlinico IRCCS Regina Elena di Milano (Dic 2004-May 2005). Qui inizia ad occuparsi di ricerca nell'ambito del **tumore al polmone** studiando polimorfismi genetici in geni del metabolismo associati al fumo di sigaretta e al tumore vincendo una borsa di Ricerca finanziata dal Ministero della Salute.

In seguito si sposta presso l'Istituto Nazionale Tumori di Milano, nell'U.O. Basi Molecolari del Rischio Genetico e Modelli Poligenici diretta dal Prof. Tommaso A. Dragani. Qui inizia a portare avanti in maniera indipendente un progetto di ricerca che porterà alla realizzazione della sua tesi specialistica (Dic 2006) nell'ambito della **suscettibilità genetica** al tumore polmonare. Presso la stessa sede svolge il PhD in convenzione con la Open University di Londra (UK). Durante i 4 anni del PhD (2007-2011), la Dr.ssa Frullanti, in modo totalmente autonomo, porta avanti il suo progetto di ricerca nella determinazione, attraverso studi di associazione genome-wide, di polimorfismi genetici funzionali associati con il rischio e la prognosi di tumore polmonare. Nel 2010, risulta vincitrice della Borsa di Ricerca triennale "ANTONIETTA ANDREOLI 2010-2012" finanziata da AIRC per il progetto da lei scritto "*Genome-wide profiling of SNPs associated with predisposition to lung cancer prognosis*". Il progetto di ricerca porterà alla pubblicazione di due lavori come primo nome (Frullanti E. et al. Clin Cancer Res. 2011; Frullanti E. et al. Int J Cancer. 2012). Nel 2011 la Dr.ssa Frullanti vince il Premio "Galilei Giovani" Young Research Scientist Award, Rotary International (District 2100 – Italy).

Nel 2013 risulta vincitrice della Borsa di Ricerca annuale "YOUNG INVESTIGATOR PROGRAMME 2013" finanziata dalla Fondazione Umberto Veronesi per il progetto da lei ideato e scritto "*Exome sequencing in non-smoker young lung cancer patients*" e si trasferisce presso la U.O.C Genetica Medica (Prof.ssa Alessandra Renieri) del Dipartimento di Biotecnologie Mediche, Università di Siena, dove è disponibile la piattaforma utile per l'**analisi dell'esoma** prevista nel suo progetto di ricerca. Durante questo anno pubblica ancora come primo nome (Galvan A, Frullanti E [contributed equally to the work], et al. Carcinogenesis. 2013) e il progetto pilota sull'esoma porta alla realizzazione di un manoscritto in cui la Dr.ssa Frullanti è ultimo nome e corresponding (Renieri A et al. Lung Cancer 2014). Nel 2015 risulta nuovamente vincitrice della Borsa di Ricerca annuale "Post-doctoral Fellowships – anno 2015" finanziata dalla Fondazione Umberto Veronesi per il progetto da lei scritto "*Identification of genetic bases of individual predisposition to lung cancer in non-smokers*". Durante questo periodo, perfeziona la sua esperienza sul sequenziamento di nuova generazione applicato non solo al tumore polmonare ma anche a **malattie genetiche ereditarie**, pubblicando altri due articoli come ultimo autore (Imperatore V et al. Int J Mol Med. 2016; Bianciardi L et al. Mol Genet Metab. 2016) a supporto della sua capacità di condurre e coordinare progetti di ricerca.

Nel 2016 risulta vincitrice del concorso per il reclutamento di un Ricercatore a t.d. - t. pieno art. 24 c.3-a L.240/10 nel settore concorsuale 06/A1-Genetica Medica – settore scientifico disciplinare MED/03-Genetica Medica presso il Dipartimento di Biotecnologie Mediche dell'Università di Siena e svolge attualmente l'attività di didattica e di ricerca della presso la Genetica Medica del suddetto Dipartimento, occupandosi dello studio dei meccanismi patogenetici e molecolari della Sindrome di Alport e della suscettibilità genetica al tumore polmonare. Negli ultimi anni, il suo interesse di ricerca si è concentrando inoltre sull'editing genetico utilizzando il **sistema CRISPR** e la sua applicazione nella pratica clinica con particolare attenzione alla sindrome di Rett, al Parkinson, alla sindrome di Alport, alla leucemia linfatica cronica e ad altri tumori mutati TP53. Dal 2019 è Responsabile di Unità di un progetto di ricerca finanziato dal Ministero dell'Istruzione, dell'Università e della Ricerca (MIUR) nell'ambito dei Progetti di Ricerca di Interesse Nazionale (PRIN) 2017 su "Gene Therapy in PCDH19 disease".

Negli ultimi tre anni, nel suo laboratorio, EF ha introdotto l'uso dell'NGS per la "**biopsia liquida**" come tecnica diagnostica e prognostica innovativa nel cancro per la diagnosi precoce del cancro, nonché il monitoraggio dinamico della crescita del cancro e della resistenza al trattamento. Per questa attività coordina un team composto da due dottorandi e un Post-doc.

Nell'ultimo anno, per rispondere alla pandemia di **COVID-19**, ha dedicato parte delle sue attività di ricerca allo studio delle basi genetiche responsabili della variabilità clinica della risposta all'infezione da SARS-CoV-2 tramite lo sviluppo di **modelli matematici** di *Machine Learning* e dell'Intelligenza Artificiale.

**PARAMETRI
BIBLIOMETRICI**

N. PUBBLICAZIONI: 67
N. CAPITOLI DI LIBRO: 4
IF TOTALE = 432.103
IF MEDIO PER ITEM = 6.449
N. CITAZIONI TOTALI = 1,525
N. MEDIO DI CITAZIONI PER ITEM = 23,11
N. PUBBLICAZIONI (ULTIMI 10 ANNI) = 50
H-index (from Scopus update 04 August 2022) = 18

La sottoscritta è a conoscenza che, ai sensi dell'art. 26 della legge 15/68, le dichiarazioni mendaci, la falsità negli atti e l'uso di atti falsi sono puniti ai sensi del codice penale e delle leggi speciali. Inoltre, il sottoscritto autorizza al trattamento dei dati personali, secondo quanto previsto dalla Legge 196/03.

Siena, 04/08/2022

Pagina 28

In fede,
Elisa Frullanti

